

Virus respiratorios Emergentes:

(“Metapneumovirus humano” / Influenza aviar)

Enfermedades infecciosas emergentes (EIE):

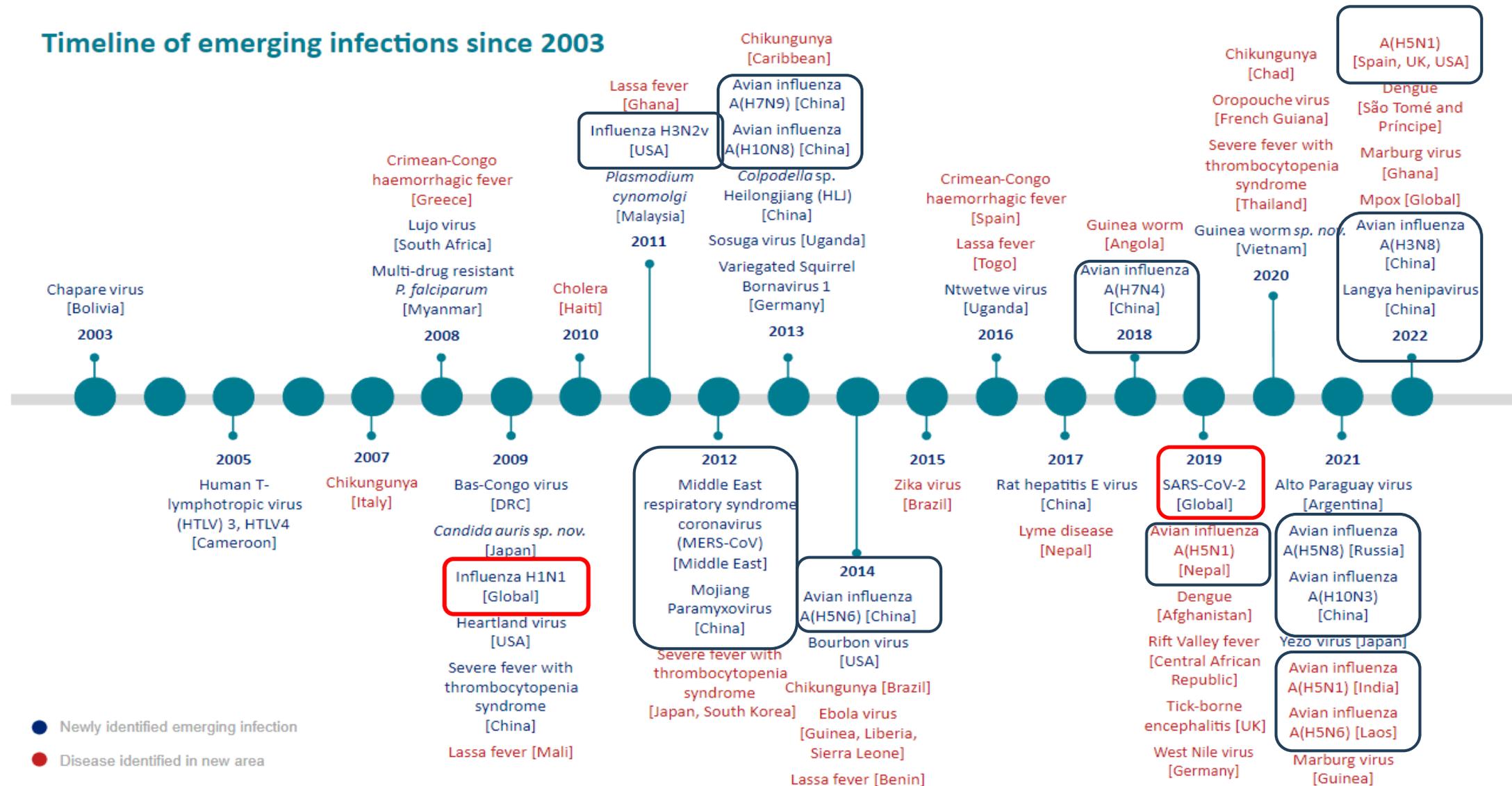
- Las EIE son infecciones nuevas que han aparecido dentro de una población o aquellas cuya incidencia o distribución geográfica está aumentando rápidamente, o amenaza con aumentar en el futuro cercano.

Las infecciones emergentes pueden ser causadas por:

- Agentes infecciosos **desconocidos o no detectados previamente.**
- Agentes conocidos que se han **extendido a nuevas ubicaciones geográficas** o nuevas poblaciones.
- Agentes previamente conocidos cuyo papel en enfermedades específicas no se había reconocido anteriormente (MDR).
- Agentes cuya incidencia de enfermedad había disminuido significativamente en el pasado, pero cuya incidencia de enfermedad ha reaparecido. **Enfermedades infecciosas reemergentes.**



Línea de tiempo de infecciones Emergentes de nueva identificación y brotes notables en Humanos entre 2003 y 2022



A photograph showing a group of people, mostly young adults, standing on what appears to be a subway platform or transit station. They are all wearing face masks, primarily light blue surgical masks. The background is slightly blurred, showing the interior of the station with some structural elements and a flag. The overall tone is serious and public health-oriented.

HMPV: EL VIRUS QUE SE EXTIENDE EN CHINA Y PRENDE ALARMAS EN EL MUNDO

¿QUÉ ES EL METAPNEUMOVIRUS?

#ACTUALIDAD

#INTERNACIONAL

ESPAÑA >

Un brote de metapneumovirus humano colapsa los hospitales en China, pero las autoridades sanitarias llaman a la calma

El metapneumovirus humano fue descubierto en Países Bajos a principios del siglo XXI y tiene unos síntomas muy similares al resfriado común



Por C. Amanda Osuna



[Cuán preocupados debemos estar por el brote de metapneumovirus humano que prolifera en China](#)

El metapneumovirus humano es una de las principales causas de infecciones respiratorias en personas de todas las edades.



[China faces Covid-like scare again: All you should know about HMPV & other viruses overwhelming hospitals](#)

Human Metapneumovirus: China is coping with an outbreak of human metapneumovirus (HMPV), along with other viruses such as Influenza A, Mycoplasma pneumoniae...



[China steps up monitoring of emerging respiratory diseases](#)

China's diseases control authority said on Friday that it was piloting a monitoring system for pneumonia of unknown origin, with cases of some respiratory...

The Front Page

2nd January, 2025

Five years after Covid outbreak, is **China hiding another mysterious virus, 'HMPV'?**

The virus causes flu-like and COVID-19-like symptoms. There are claims that China has declared a state of emergency, though this has not been confirmed.



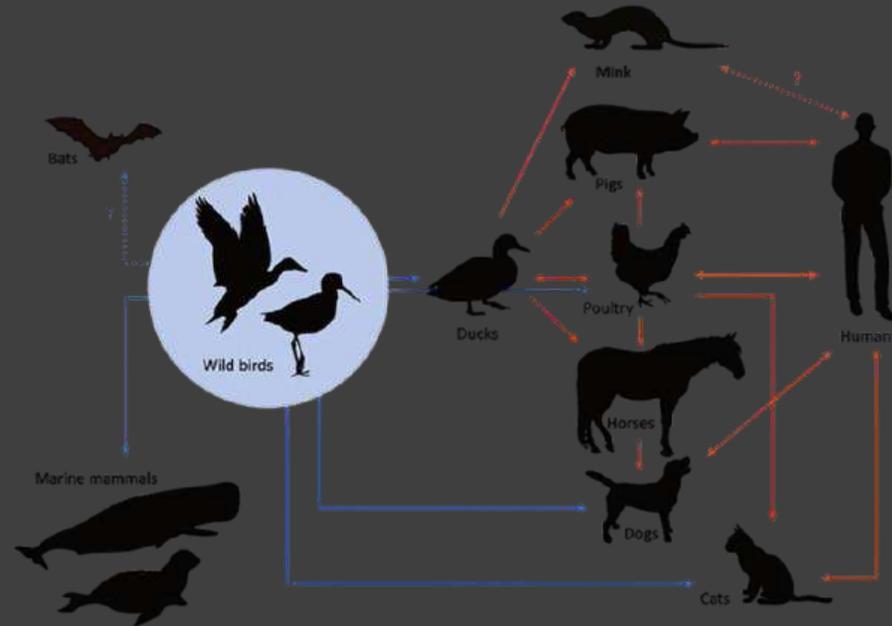
7 January 2025

Trends of acute respiratory infection, including human metapneumovirus, in the Northern Hemisphere

- ✓ hMPV es un virus respiratorio común que circula en muchos países desde el invierno hasta la primavera. Si bien algunos casos pueden ser hospitalizados con bronquitis o neumonía, la mayoría de las personas infectadas con hMPV tienen síntomas leves de las vías respiratorias superiores similares a los del resfriado común y se recuperan después de unos días.
- ✓ Según los datos publicados por China, hasta el 29 de diciembre de 2024, las infecciones respiratorias agudas han aumentado durante las últimas semanas a expensas de detecciones de influenza estacional, rinovirus, VSR y hMPV, particularmente en el norte de China. El aumento observado en las detecciones de patógenos respiratorios está dentro del rango esperado para esta época del año durante el invierno del hemisferio norte. En China, la influenza es el patógeno respiratorio detectado con mayor frecuencia que afecta actualmente a las personas con infecciones respiratorias agudas.
- ✓ Recientemente, ha habido interés en los casos de hMPV en China, incluidas sugerencias de que los hospitales están abrumados.

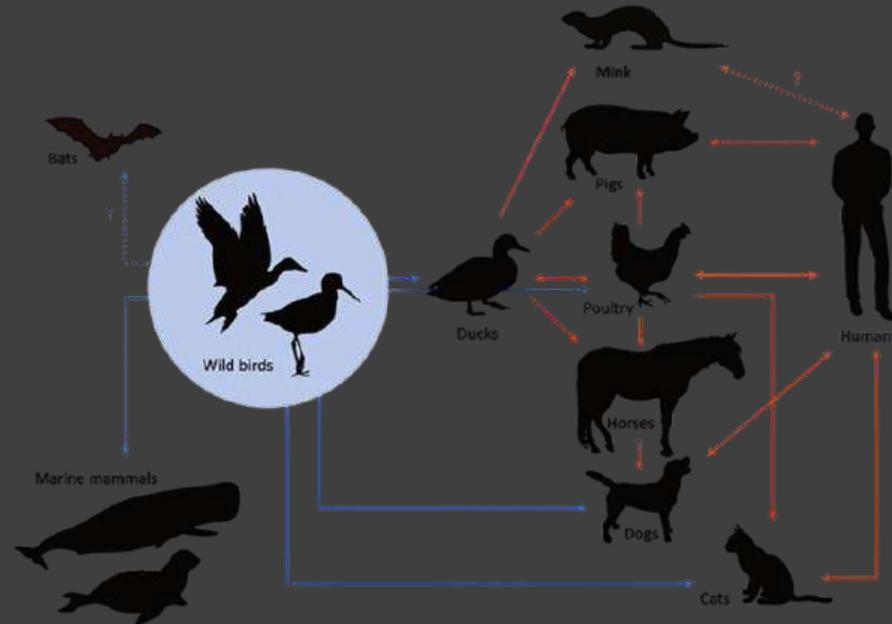
Influenza aviar (gripe aviar)

- Aspectos generales.
- Contexto actual.



Influenza aviar (gripe aviar):

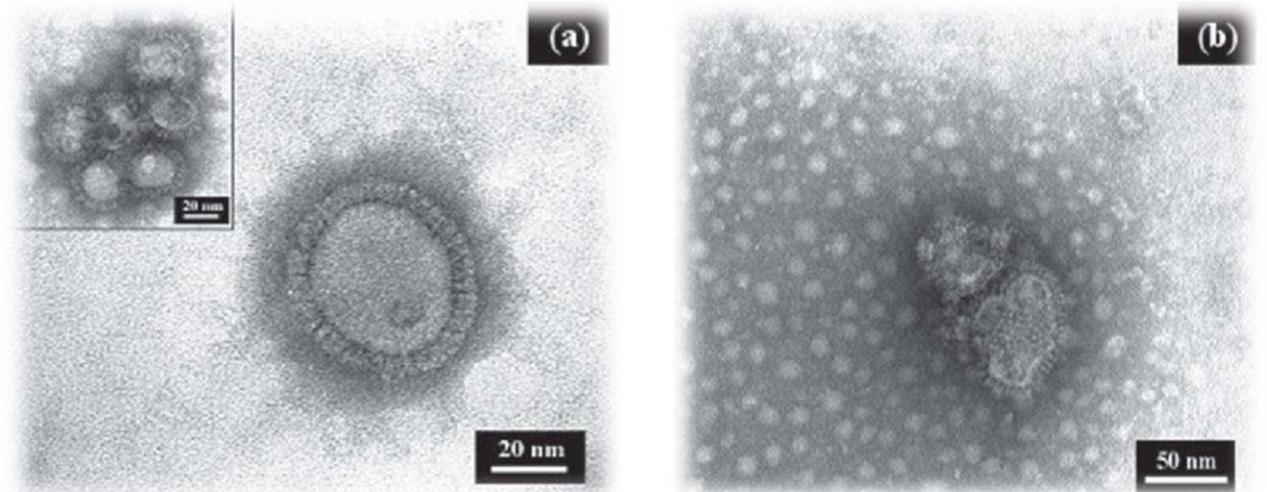
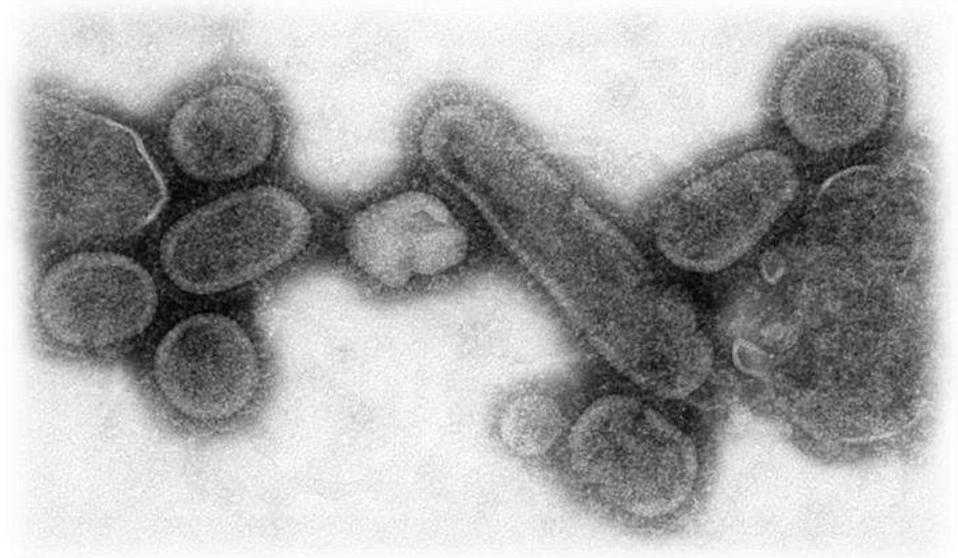
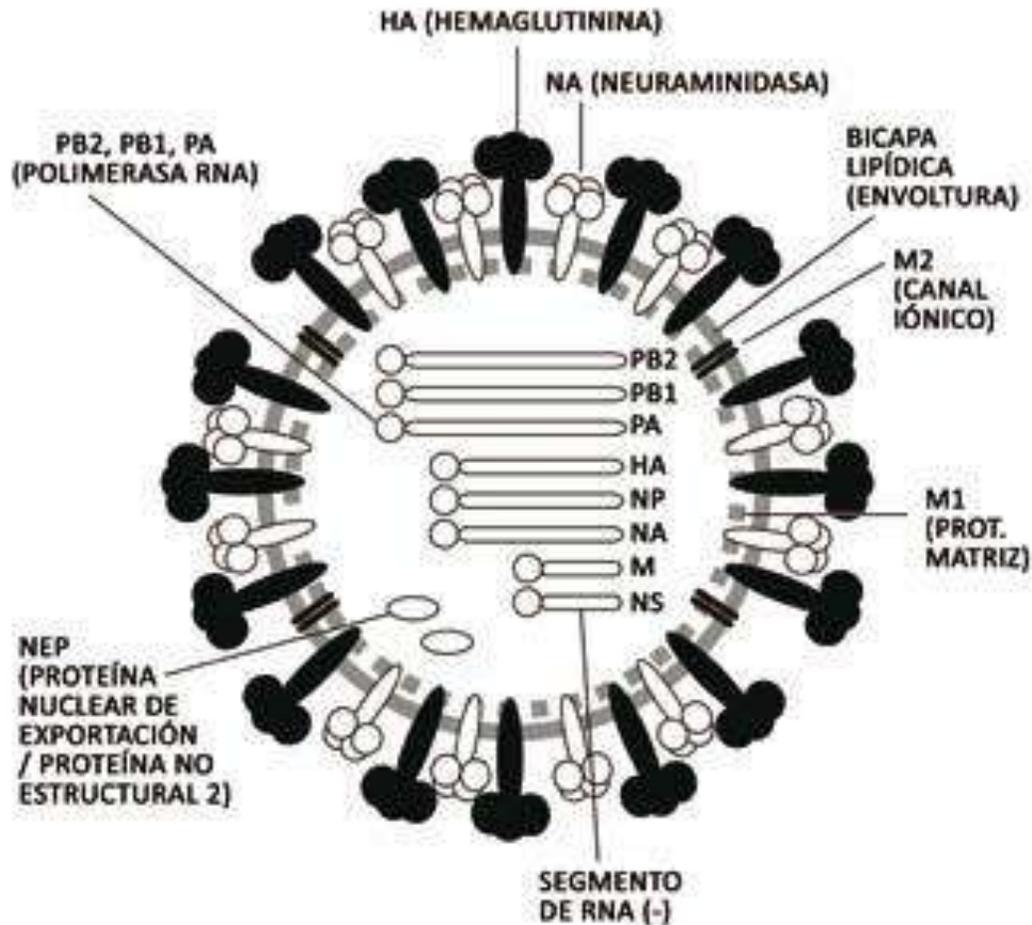
Es una enfermedad causada por el virus de la influenza A que se transmite principalmente entre las aves, pero en ocasiones puede afectar a los mamíferos, incluidos los humanos.



Clasificación:

Familia: Orthomyxoviridae

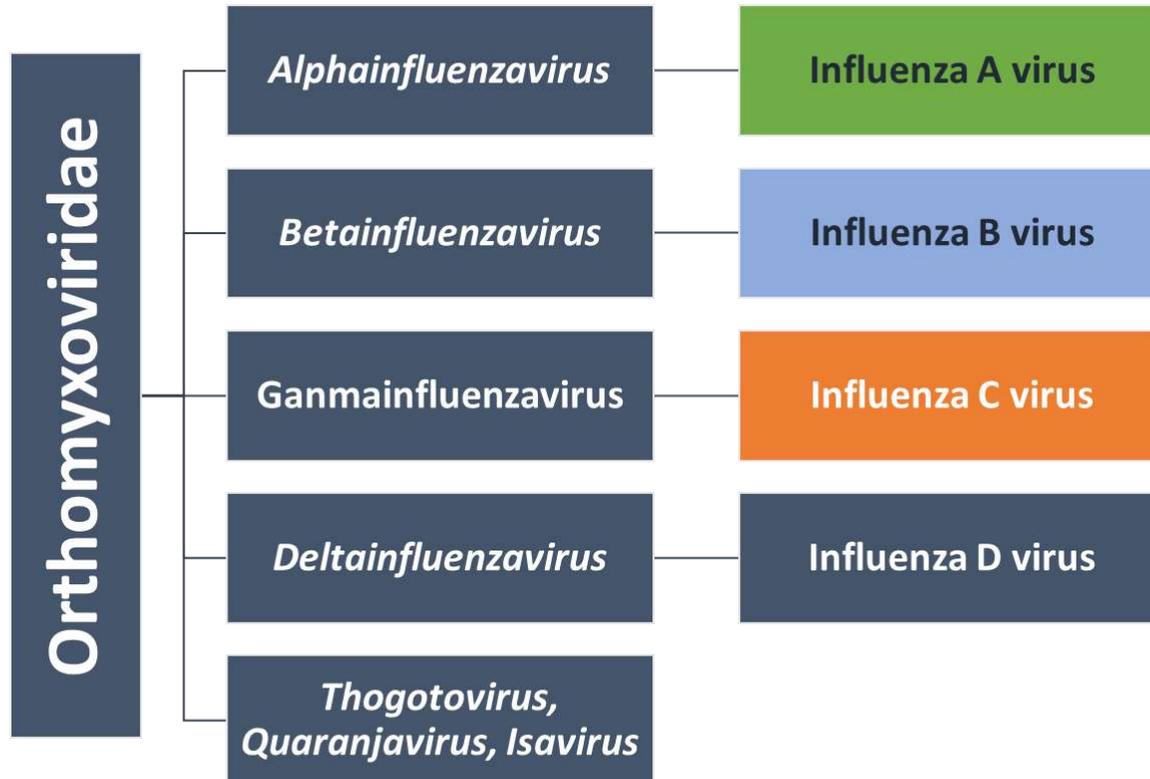
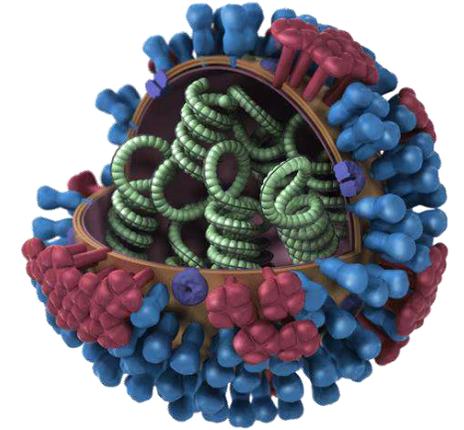
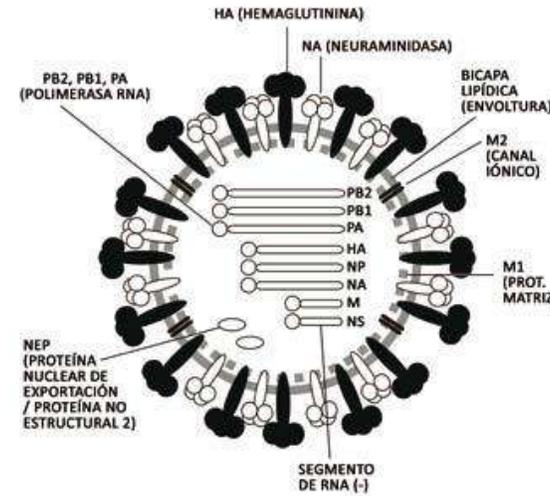
- Virus envueltos, con ARN polaridad negativa, cadena única, segmentada y un diámetro entre 80 y 120 nm.



Clasificación:

Familia: Orthomyxoviridae

- Virus envueltos, con ARN polaridad negativa, cadena única, segmentada y un diámetro entre 80 y 120 nm.



Subtipos Influenza A: H1N1, H3N2, H5N1
H7N7, H7N9, H9N2

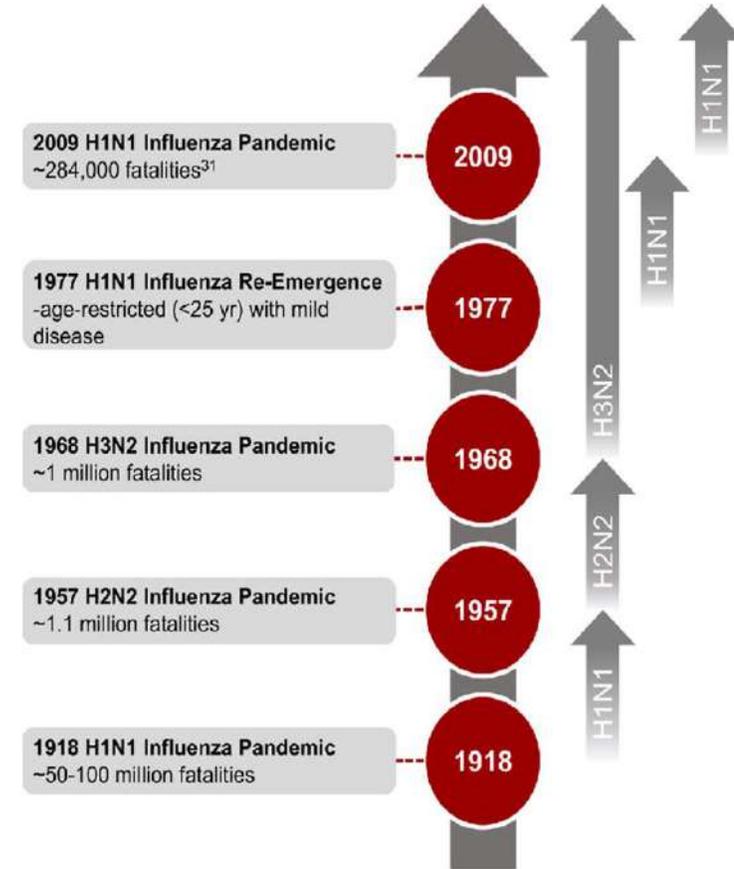
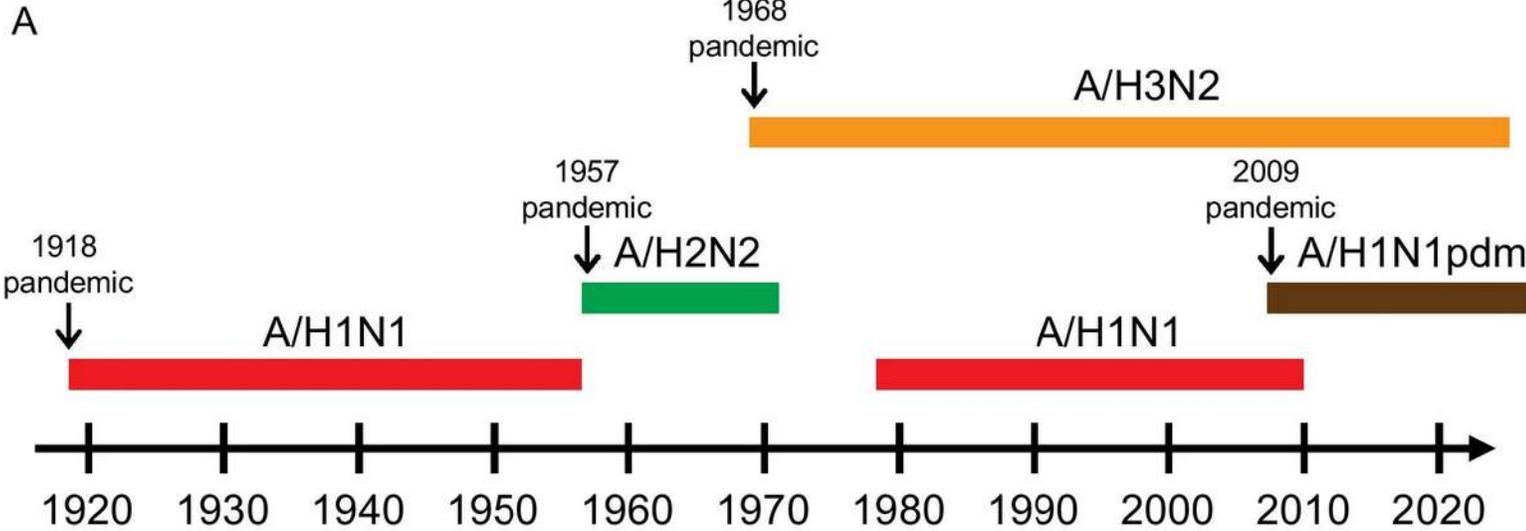
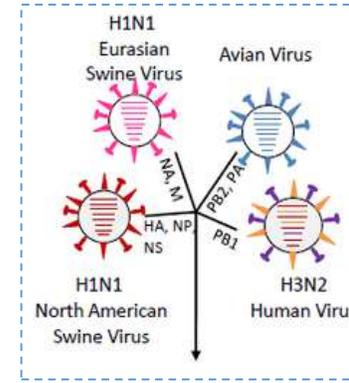
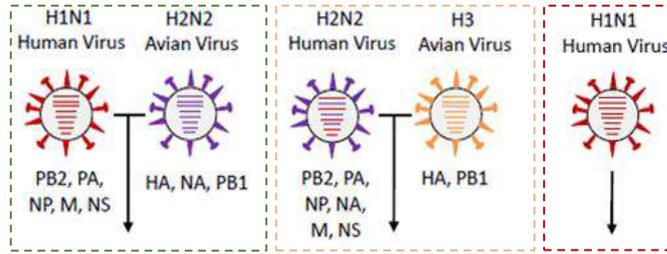
- Amplio rango de hospedero (Virus Zoonótico).
- Variabilidad genética significativa (derivadas y saltos evolutivos).
- Causar epidemias y pandemias.

Linajes B Victoria y Linaje B Yamagata

- Afecta solo a humanos.
- Dinámica evolutiva inferior (equilibrio evolutivo en humanos).
- Causa epidemias.

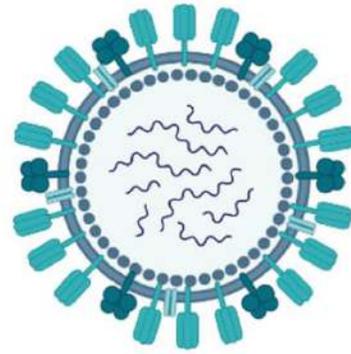
Circulación de virus influenza A en humanos

Siglos 20-21:

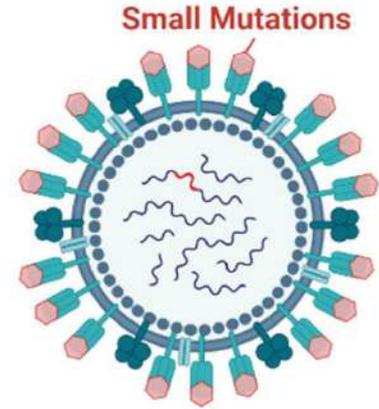


Mecanismos evolutivos de los virus influenza A:

(A) Antigenic Drift

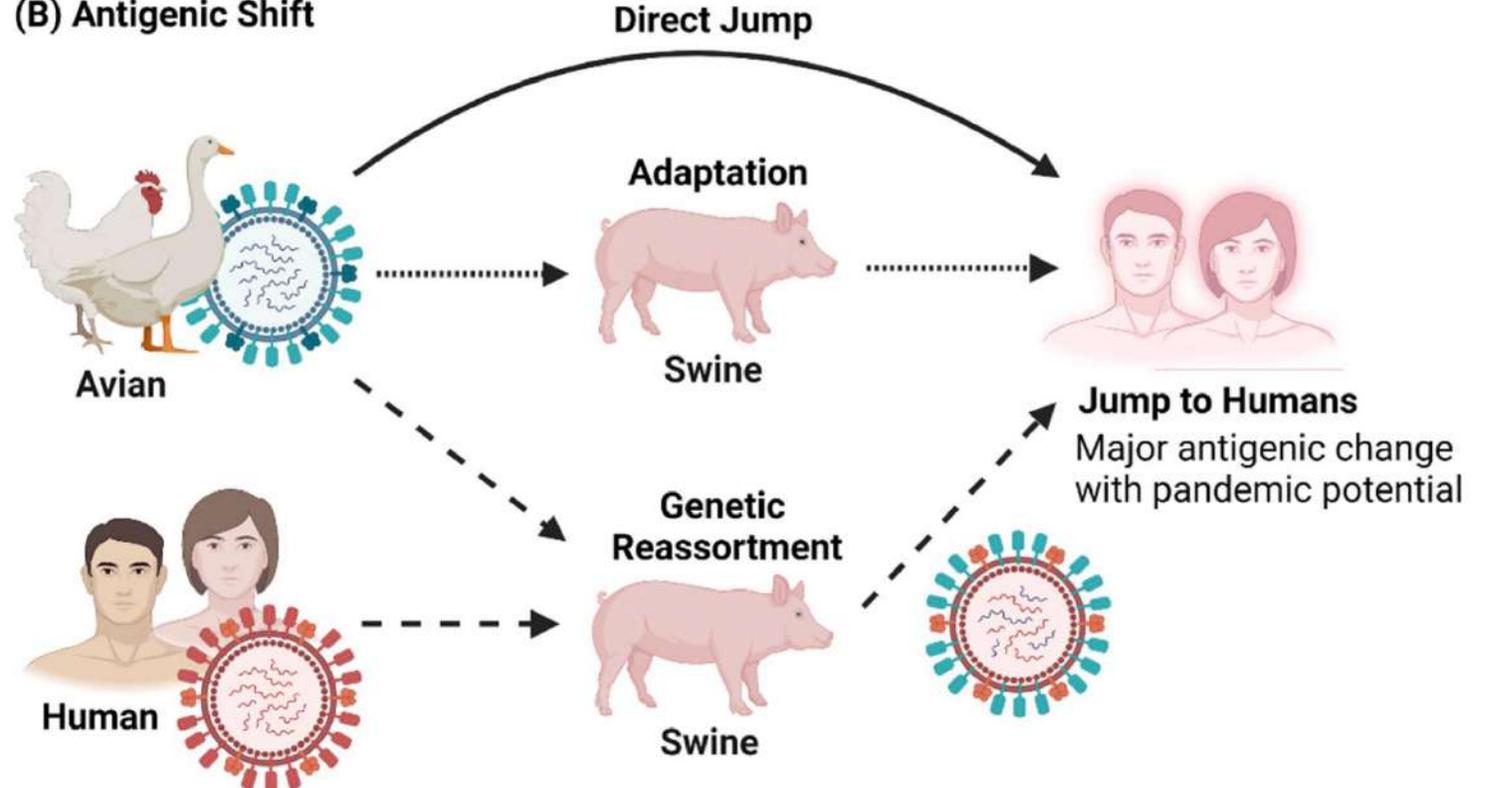


Accumulation of Mutations



Minor antigenic change with epidemic potential

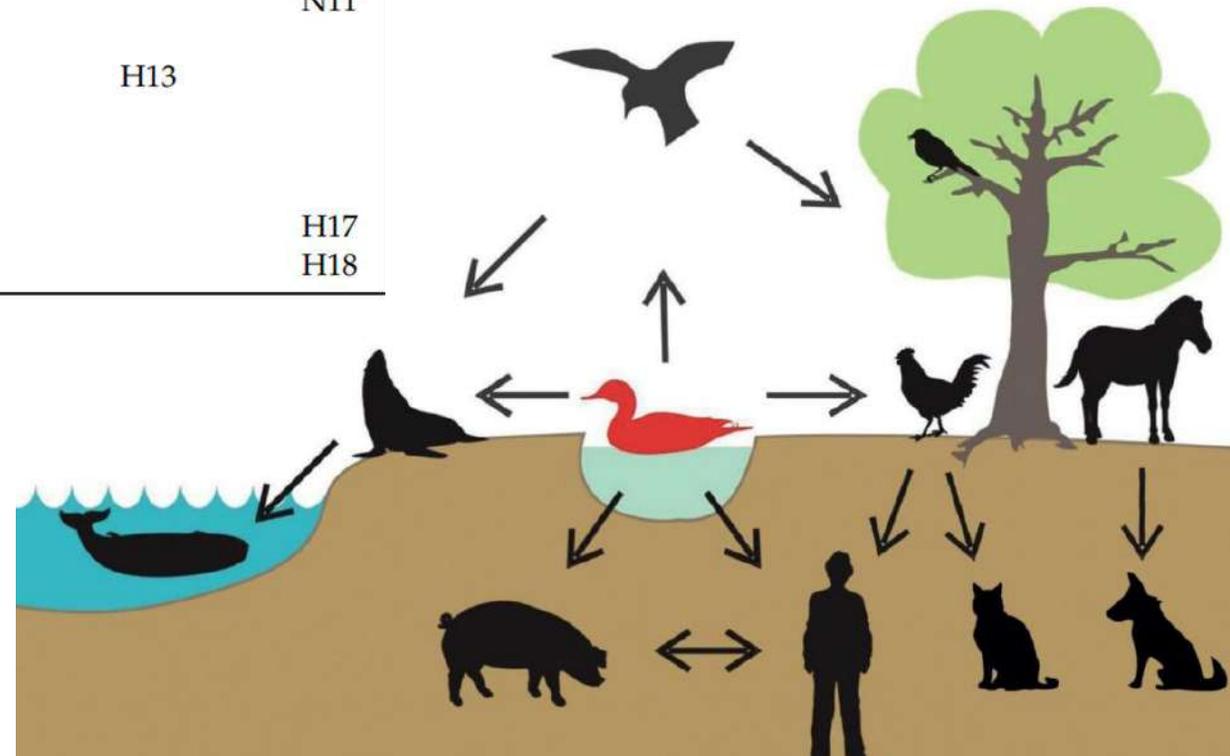
(B) Antigenic Shift

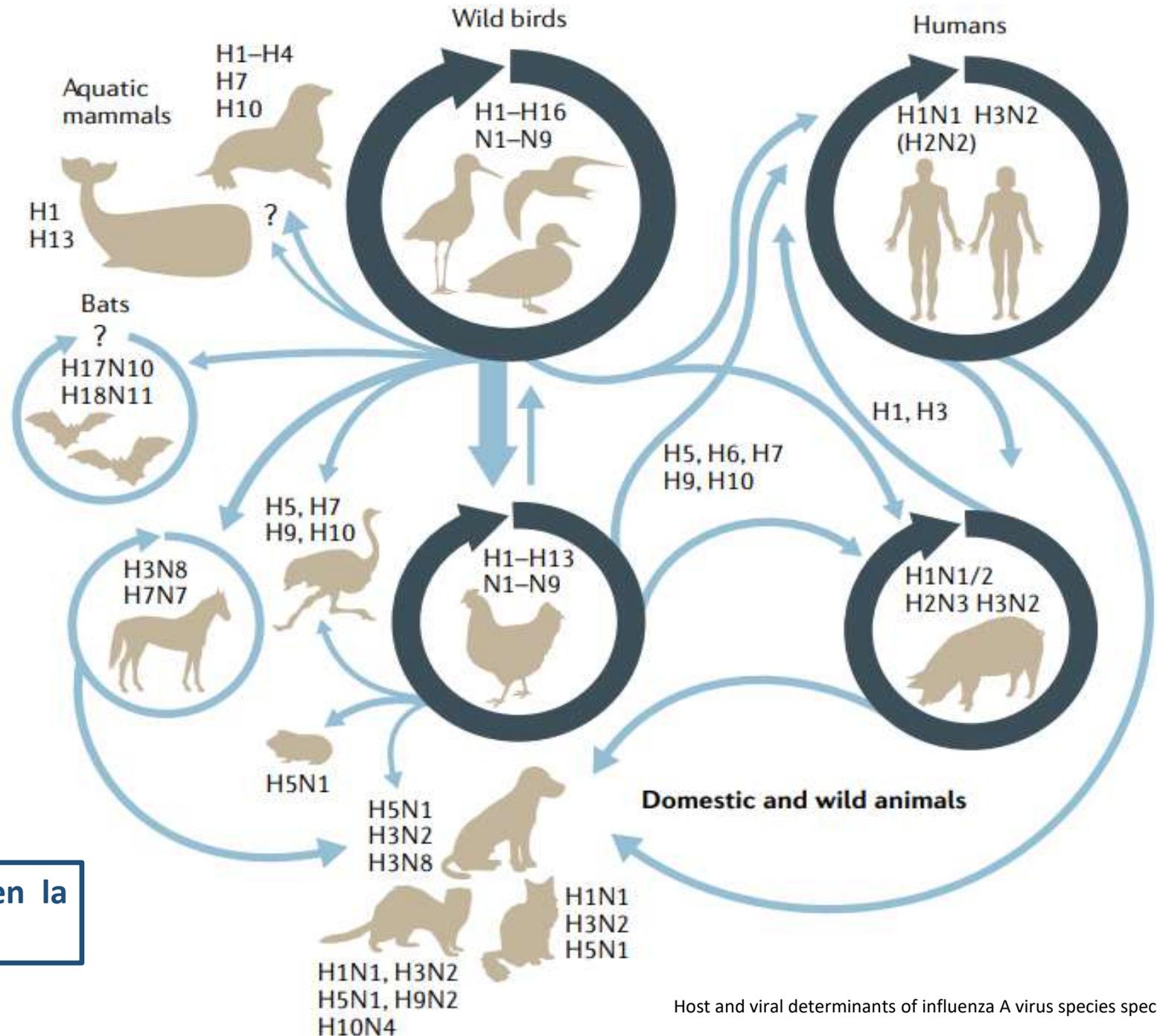


Rango de hospedero de los diferentes tipos de Hemaglutinina y Neuraminidasa en virus influenza A:

Subtipo HA	Subtipo NA	Humanos	Cerdos	Equinos	Aves de corral	Aves acuáticas	Mamíferos acuáticos	Murciélagos
H1	N1	H1/N1	H1/N1		H1/N1	H1/N1	H1	
H2	N2	H2/N2	H2/N2		H2/N2	H2/N2	N2	
H3	N3	H3/N3	H3	H3	H3/N3	H3/N3	H3/N3	
H4	N4	N4	H4		H4/N4	H4/N4	H4	
H5	N5	H5	H5		H5/N5	H5/N5	N5	
H6	N6	H6/N6	H6/N6		H6/N6	H6/N6		
H7	N7	H7/N7		H7/N7	H7/N7	H7/N7	H7/N7	
H8	N8	N8		N8	H8/N8	H8/N8		
H9	H9	H9/H9	H9		H9/N9	H9/N9	N9	
H10	N10	H10			H10	H10	H10	N10
H11	N11				H11	H11		N11
H12					H12	H12		
H13					H13	H13	H13	
H14					H14	H14		
H15					H15	H15		
H16					H16	H16		
H17								H17
H18								H18

- Todos los subtipos conocidos del virus de la influenza A se han encontrado en aves (excepto H17N10 y H18N11), consideradas **reservorio natural** (aves acuáticas salvajes).





✓ Virus Influenza A. Subtipos envueltos en la circulación entre diferentes hospederos.

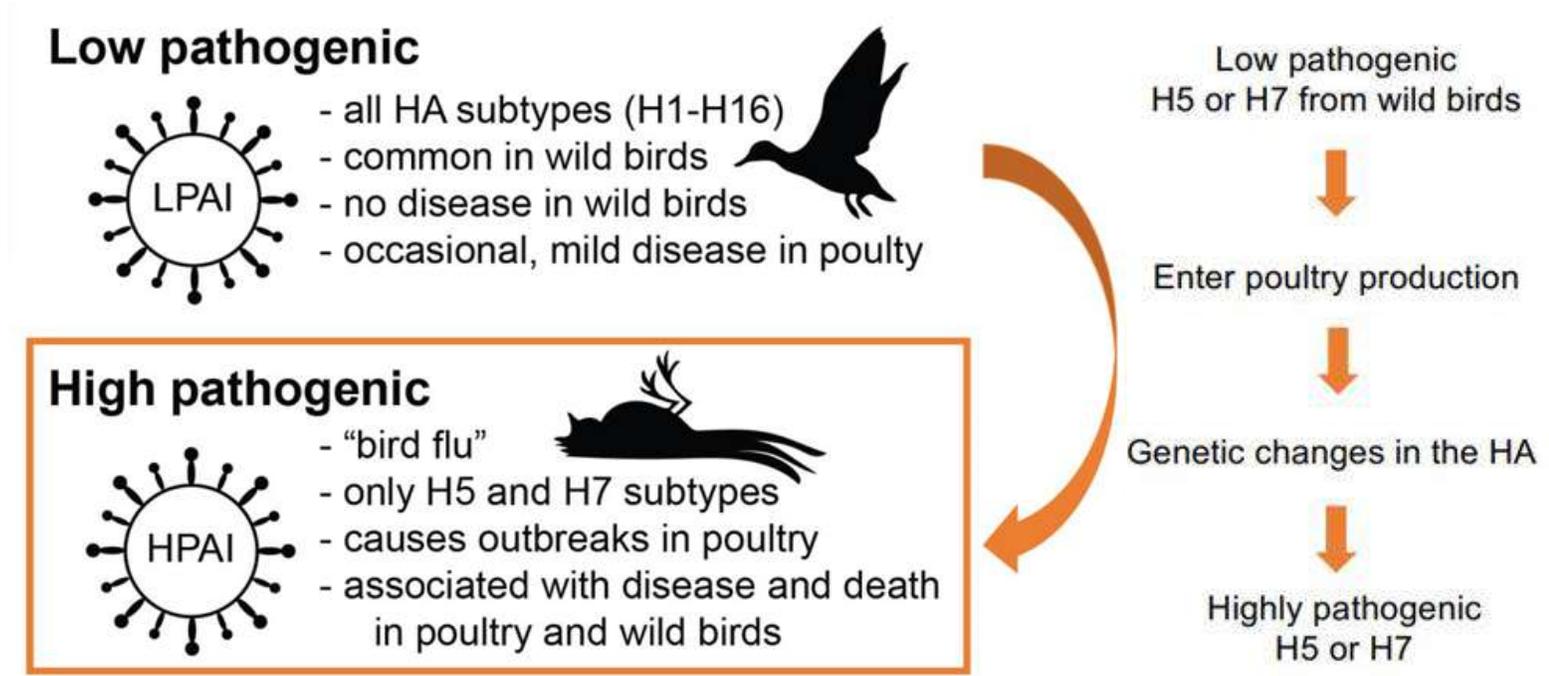
Influenza aviar altamente patógena (HPAI) o influenza aviar de baja patogenicidad (LPAI):

✓ Los virus de la influenza aviar A se designan como HPAI o LPAI según las características moleculares del virus y su capacidad del virus para causar enfermedad y mortalidad en las aves.

✓ La gravedad de la enfermedad en las aves (LPAI o HPAI) no predice la gravedad en humanos.

✓ Los subtipos H5y H7 son los únicos dos subtipos reconocidos como virus de influenza aviar altamente patógena, que son enfermedades notificables a la WOAH.

✓ La infección por el virus HPAI en las aves de corral (virus H5 o H7) puede asociarse a tasas de mortalidad de hasta el 100 %, a menudo en 48 horas.



Aspectos destacados de la historia de la influenza aviar

Cronología:

1918

GRIPE
ESPAÑOLA

H₁N₁

H1N1 origen aviar (50 y 100 millones de muertes) en todo el mundo.

1924

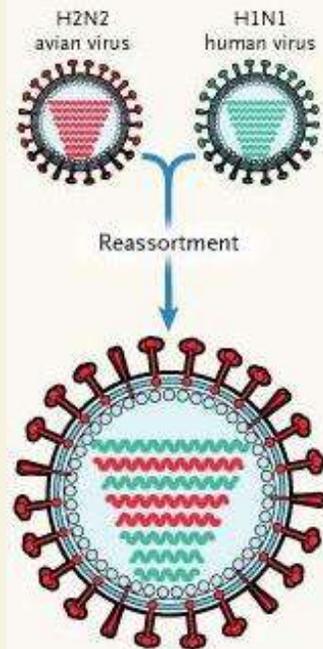
IAAP
USA. NY.

Primer brote de IAAP en aves de corral en Estados Unidos. Enormes pérdidas en los mercados de aves vivas de la ciudad de Nueva York.

1957

GRIPE
ASIÁTICA

H₂N₂



3 new genetic segments from avian influenza virus introduced (HA, NA, PB1); contained 5 RNA segments from 1918

1959

ESCOCIA
(IAAP)

A H₅N₁

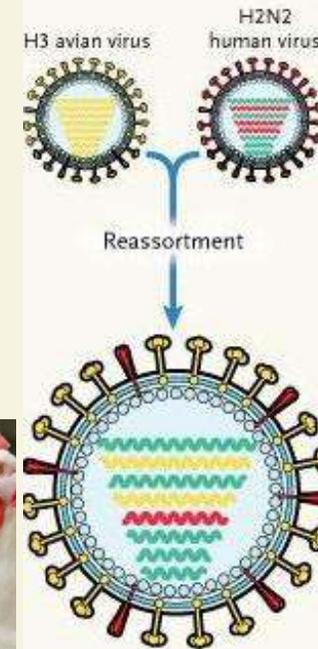
El primer virus HPAI A(H5N1) se aisló tras un brote en pollos en Escocia



1968

GRIPE DE HONG
KONG

H₃N₂



2 new genetic segments from avian influenza virus introduced (HA, PB1); contained 5 RNA segments from 1918

1996

CHINA
(IAAP)

A H₅N₁

El virus HPAI H5N1 se identificó por en aves acuáticas (gansos) de granja en el sur de China en 1996.

A/goose/Guangdong/1/1996)



FOTO: IMAGEM DA INTERNET / PHOTO: INTERNET IMAGE

1997

HONG KONG
(IAAP)

A H₅N₁

Brotos de virus H5N1 en aves de corral con transmisión a humanos, provoca 18 casos infectados y seis muertes.

Primeras infecciones humanas por H5N1 reconocidas con desenlaces mortales.

Aspectos destacados de la historia de la influenza aviar

Cronología:

2003-2010

DISEMINACIÓN
H₅N₁

2003 H5N1 remerge en China, ocasionando grandes brotes en todo Asia.

Aves salvajes diseminan el virus a África y Europa.



2011

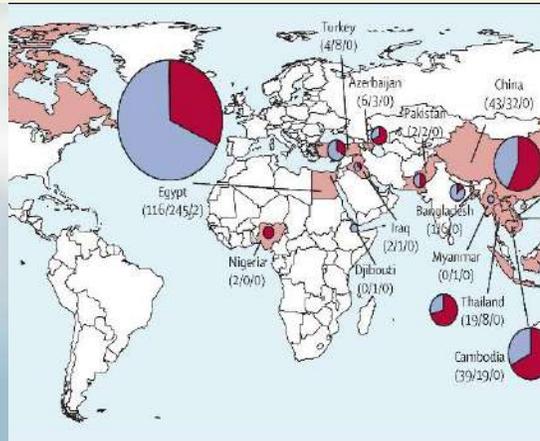
FAO
PAISES ENZOOTICOS

Bangladesh, China, Egipto, India, Indonesia y Vietnam: enzoóticos por el virus HPAI H5N1 en aves de corral.

2013

CHINA
IABP
H₇N₉

Infec. humanas por el virus LPAI H7N9, vinculadas a brote en aves de corral en mercados. (casos graves y fallecidos 1564/615 2013-17)



2014-2016

NUEVOS
SUBT.
IAAP H₅

Emergencia de nuevos subtipos y clados de HPAI H5: H5N2, H5N3, H5N6, H5N8 y H5N9) resultado del reordenamiento entre aves silvestres y/o aves de corral domésticas.

Diversificación de la HA HPAI. Clados 2.2; 2.3.2.1; 2.3.4.4 Asia, Africa, Medio Oriente y Norte America.

2017

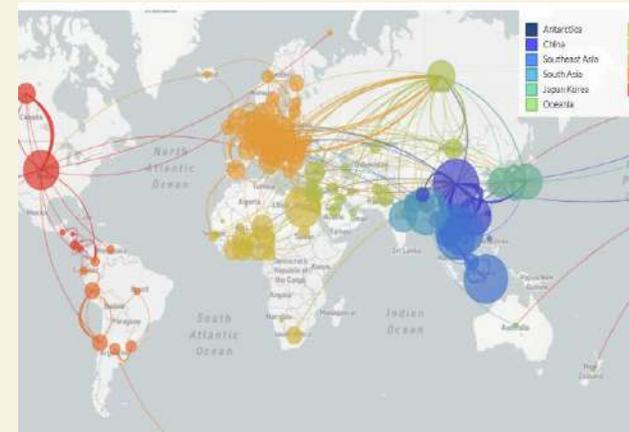
OMS / CHINA
A H₅N₁

~ 700 casos de infecc por H7N9 reportados, en China, (la mayor epidemia en humanos por H7N9 de linaje asiático en China desde 2013).

2021..

EMERGENCIA
CLADO
2.3.4.4.B

2021 H5N1 clado 2.3.4.4b se hace predominante en Asia, Europa y Africa



2021-2022

CHINA
(IABP)
A H₉N₂

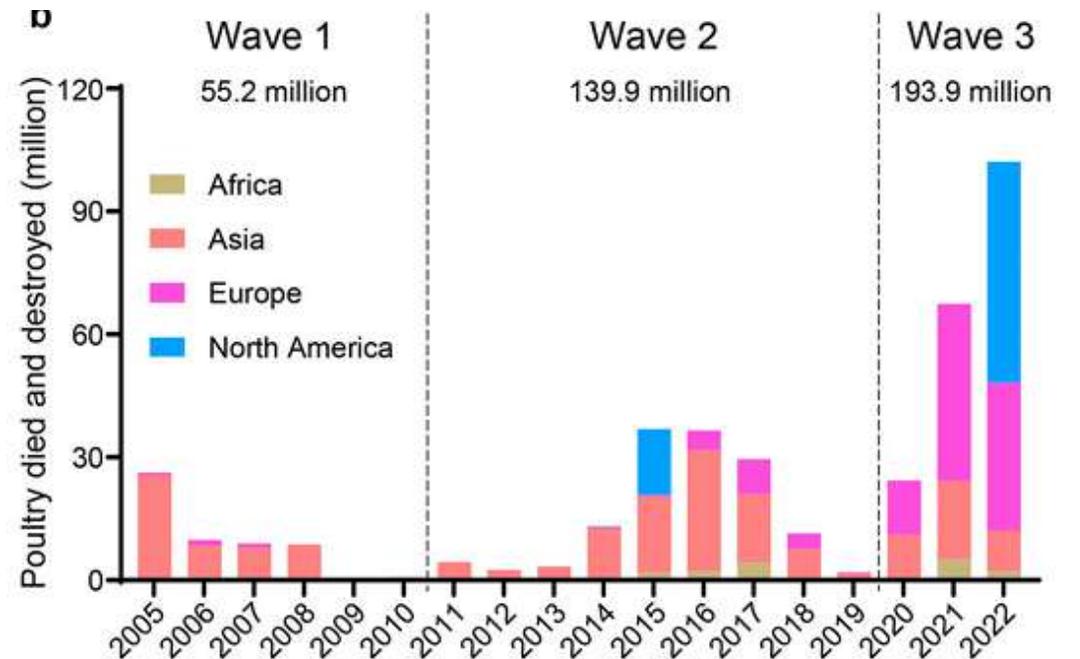
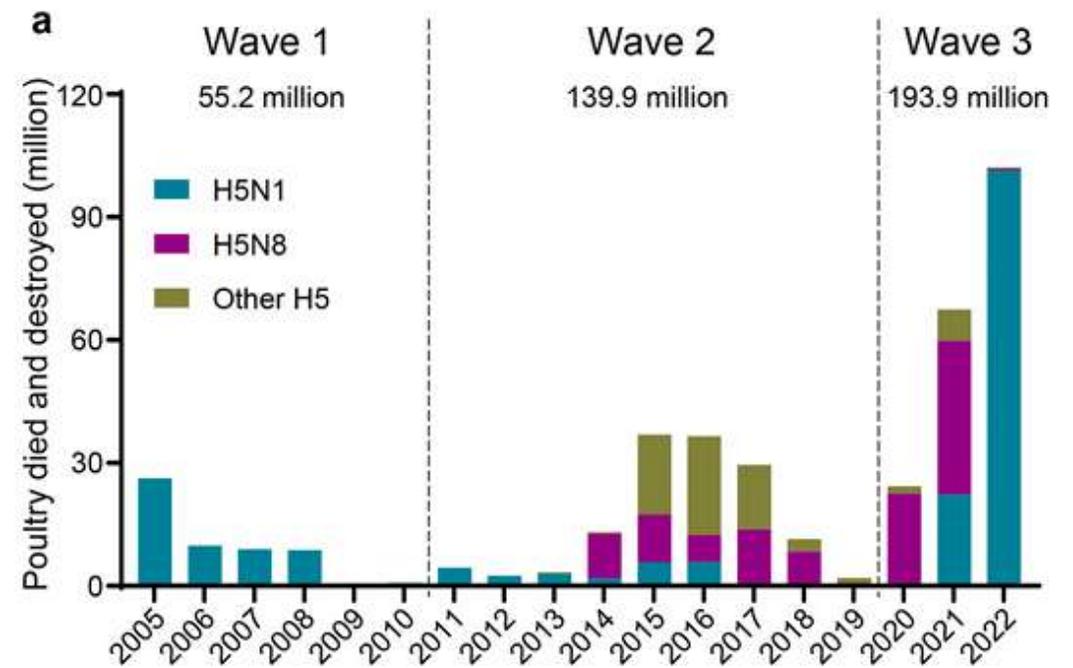
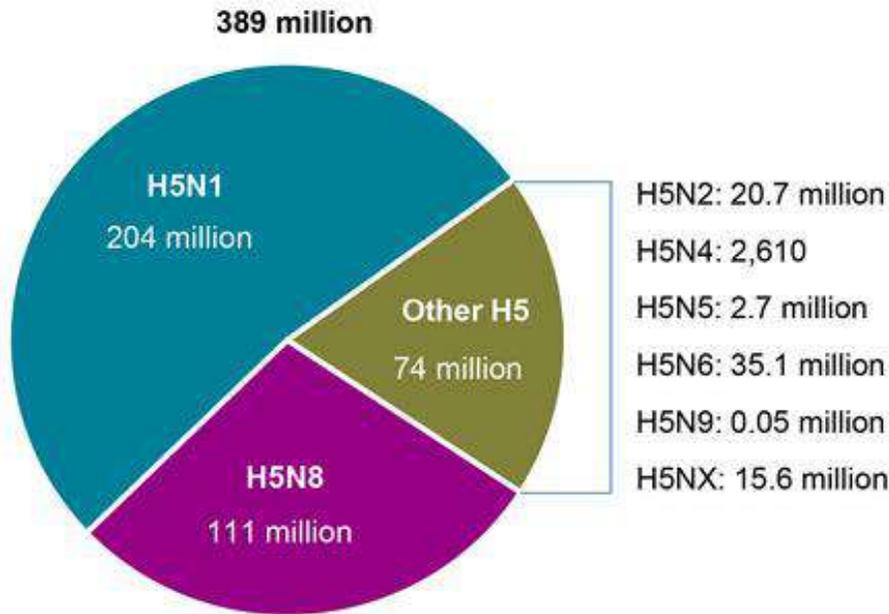
Durante 2021, se identificaron 24 casos de H9N2 en China, 19 casos leves en niños, dos casos leves en adultos y tres casos graves en adultos, incluida una muerte.

2022, China notificó cuatro casos de infección por el virus IABP H9N2, tres en niños y uno en un adulto, **todos con enfermedad leve.**

Daños causados a la industria avícola mundial desde 2005 por virus de influenza aviar H5 (OIE).

(Número de aves de corral que murieron o fueron destruidas durante brotes causados por diferentes subtipos de virus de influenza H5)

Shi J, Zeng X, Cui P, Yan C, Chen H. Alarming situation of emerging H5 and H7 avian influenza and effective control strategies. *Emerg Microbes Infect.* 2023



Daños causados a la industria avícola mundial desde 2005 por virus de influenza aviar H7 (OIE).

Year	Continent	Country	Subtype	Outbreaks	Number of poultry dead/destroyed
2005	Asia	Democratic People's Republic of Korea	H7N7	3	218,788
2007	North America	Canada	H7N3	1	49,100
2008	Europe	United Kingdom	H7N7	1	25,000
2009	Europe	Spain	H7N7	1	308,640
2012–2022	North America	Mexico	H7N3	75	29,813,496
2012	Oceania	Australia	H7Nx*	1	50,000
2013	Europe	Italy	H7N7	2	1,178,861
2013	Oceania	Australia	H7N2	1	490,000
2015	Europe	Germany	H7N7	1	10,104
2015	Europe	United Kingdom	H7N7	1	179,865
2016	Europe	Italy	H7N7	1	66,972
2016	North America	United States	H7N8	1	43,500
2017–2018	Asia	China	H7N9	12	745,665
2017	North America	United States	H7N9	1	74,000
2020	North America	United States	H7N3	1	34,160
2020	Oceania	Australia	H7N7	3	435,378
Total				106	33,723,529

Número acumulado de casos humanos confirmados† de influenza aviar A(H5N1) notificados a la OMS, 2003-2024

Country	2003-2009*		2010-2014*		2015-2019*		2020		2021		2022		2023		2024		Total	
	cases	deaths	cases	deaths	cases	deaths	cases	deaths	cases	deaths	cases	deaths	cases	deaths	cases	deaths	cases	deaths
Azerbaijan	8	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	5
Bangladesh	1	0	6	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	1
Cambodia	9	7	47	30	0	0	0	0	0	0	0	0	6	4	5	1	67	42
Canada	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1
Chile	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0
China	38	25	9	5	6	1	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	55	32
Djibouti	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0
Ecuador	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0
Egypt	90	27	120	50	149	43	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	359	120
India	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	1	1
Indonesia	162	134	35	31	3	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	200	168
Iraq	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	2
Lao People's Democratic Republic	2	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	2
Myanmar	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0
Nepal	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1
Nigeria	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1
Pakistan	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	1
Spain	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	2	0
Thailand	25	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	25	17
Turkey	12	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	4
United Kingdom	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	4	0	0	0	5	0
United States of America	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0
Viet Nam	112	57	15	7	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1	129	65
Total	468	282	233	125	160	48	1	0	2	1	6	1	12	4	6	2	888	463

*2003-2009, 2010-2014 and 2015-2019 total figures. Breakdowns by year available on subsequent tables.

†This count includes reported detections in asymptomatic individuals. In some cases, the confirmation of infection versus transient contamination of the nasopharynx/oropharynx with virus particles after exposure to infected birds or contaminated environment remains inconclusive. Total number of cases includes number of deaths.

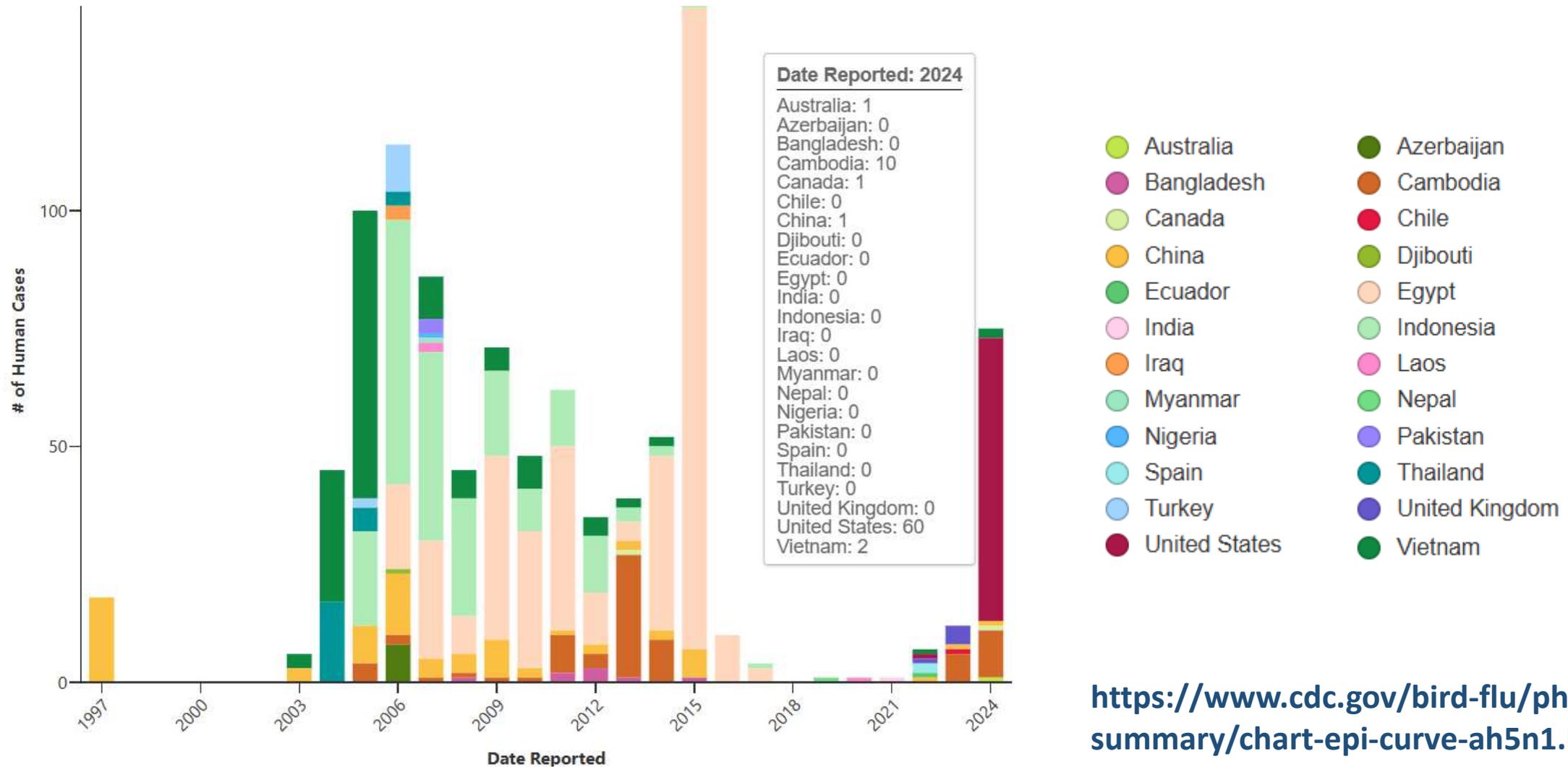
WHO reports only laboratory-confirmed cases. All dates refer to onset of illness.

Source: WHO/GIP, data in HQ as of 28 March 2024.



Letalidad
52.1%

Infecciones humanas con el virus de la gripe aviar HPAI A(H5N1) notificadas a la OMS, desde los primeros casos humanos en 1997-DIC 2024.



<https://www.cdc.gov/bird-flu/php/avian-flu-summary/chart-epi-curve-ah5n1.html>

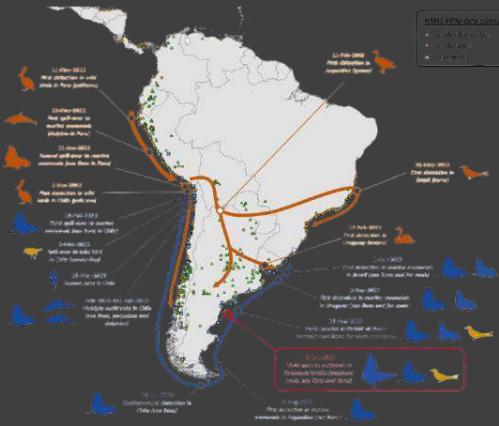
Infecciones humanas causadas por virus H7 en todo el mundo desde 1959.

Country	Case information					
	Total Number	Time period	Virus subtype	Pathotype	Number infected	Number of fatalities
Australia	1	1977	H7N7	Highly pathogenic (HP)	1	0
Canada	2	2004	H7N3	HP	2	0
China	1569	Feb. 2013–Sept, 2017	H7N9	Low pathogenic (LP)/HP	1564	615
		Oct. 2017–Sept, 2018	H7N9	HP	3	1
		2018	H7N4	LP	1	0
		2019	H7N9	HP	1	0
Italy	10	2002–2003	H7N3	LP	7 [#]	0
		2013	H7N7	HP	3	0
Mexico	2	2012	H7N3	HP	2	0
The Netherlands	89	2003	H7N7	HP	89	1
UK	6	1996	H7N7	LP	1	0
		2006	H7N3	LP	1	0
		2007	H7N2	LP	4	0
US	8	1959	H7N7	HP	1	0
		1979	H7N7	LP	4	0
		2002–2003, 2016	H7N2	LP	3	0
Total	1687	/	/	/	1687	617

[#]Serologic evidence only.

Influenza aviar

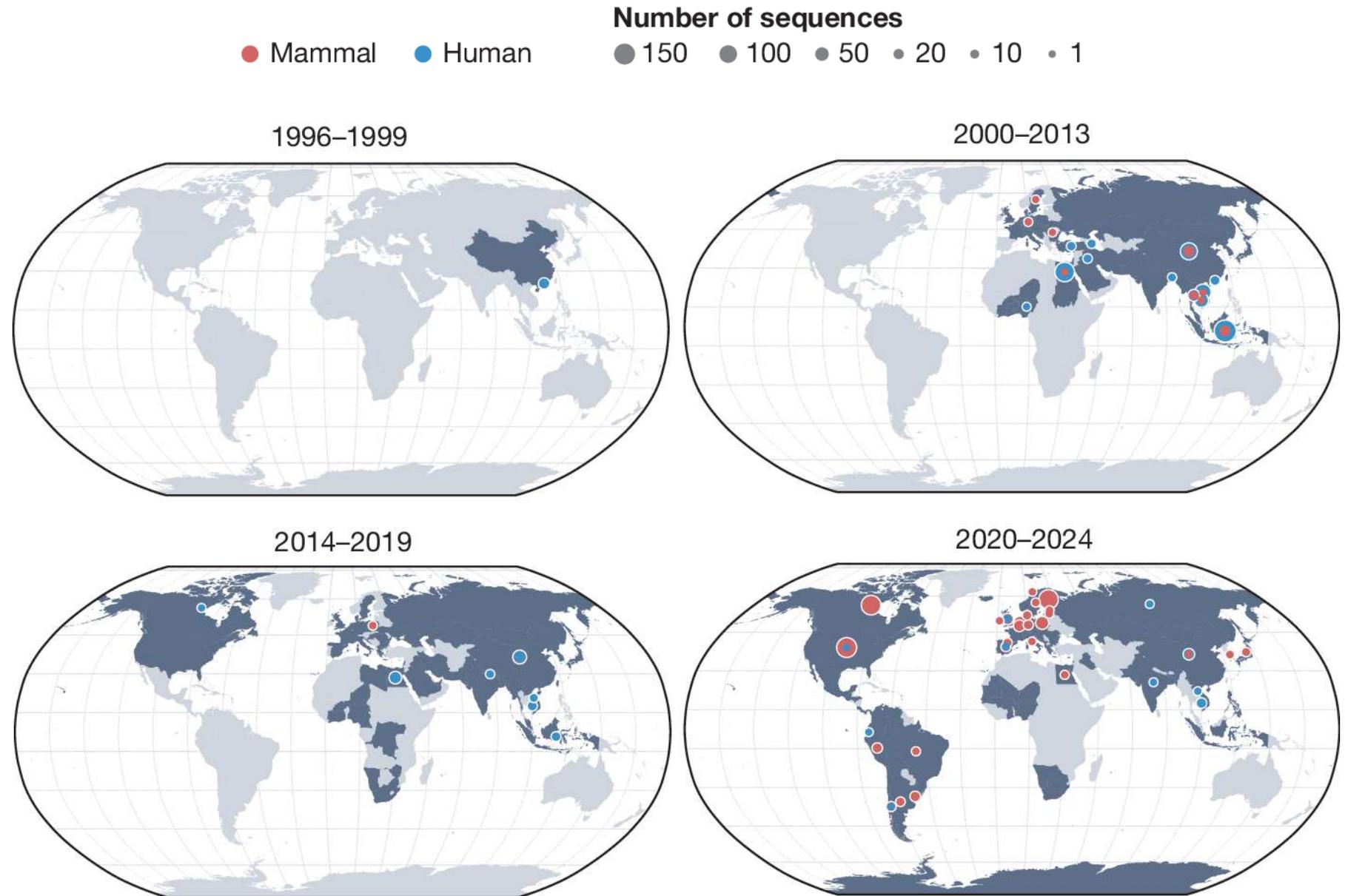
Contexto actual:



Contexto mundial:

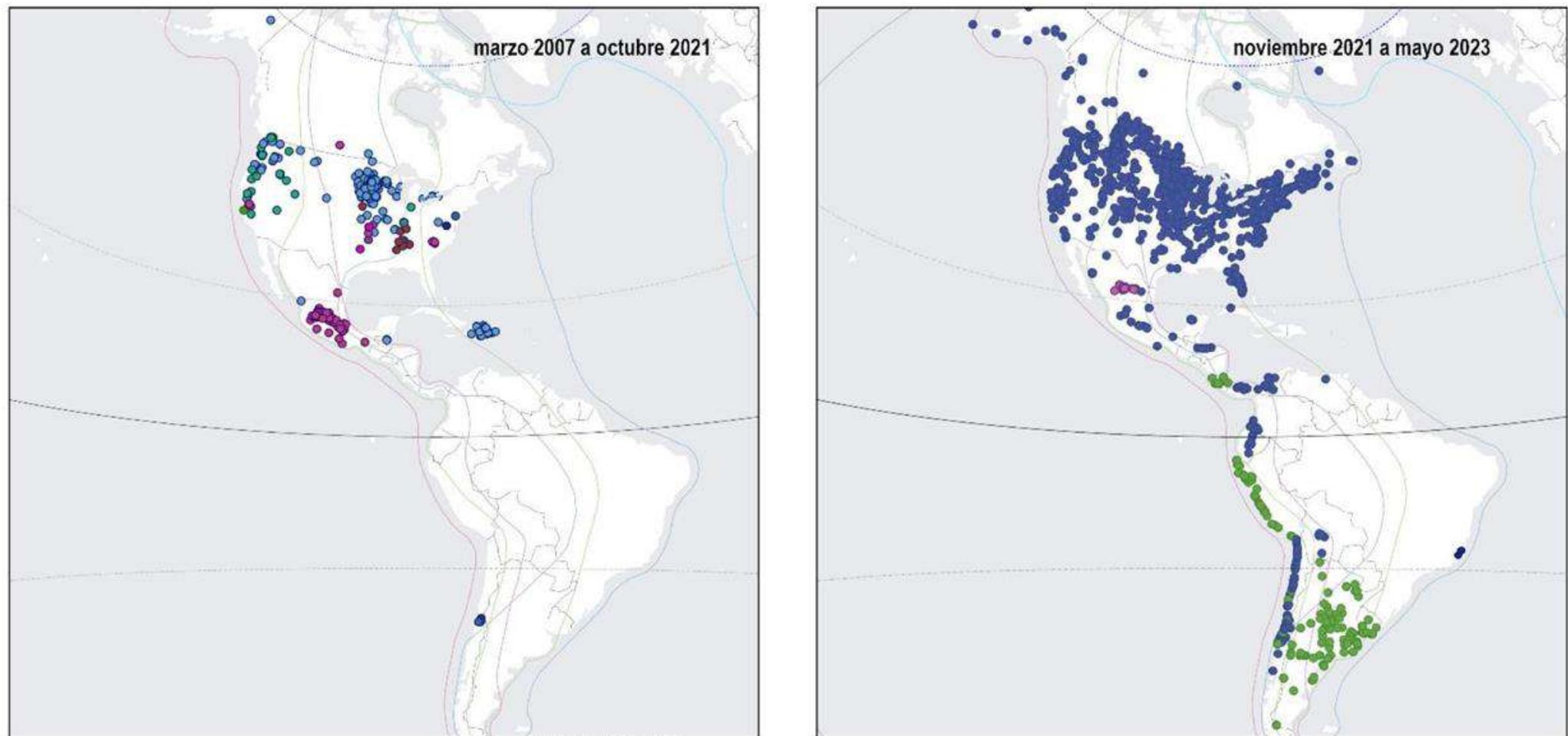
1. El virus de la influenza aviar, que usualmente es transmitido entre aves, ha mostrado un aumento de casos en mamíferos debido a cambios en su ecología y epidemiología (**PANZOOTIA**). Desde 2022, 19 países de tres continentes han notificado brotes en mamíferos a la Organización Mundial de Sanidad Animal (OMSA).
 2. Desde 2020, se ha detectado un número sin precedentes de muertes de aves silvestres y aves de corral en numerosos países de África, Américas, Asia y Europa, en la mayoría de ellos relacionados a la detección del Influenza A(H5N1) del **clado 2.3.4.4b**.
 3. Desde 2022 en **la Región de las Américas** se ha registrado un aumento creciente del número casos de influenza aviar A(H5) en los últimos años tanto en aves como en mamíferos.
 4. Durante 2024 en los **EU ha tenido lugar un brote multiestatal de gripe aviar HPAI A(H5N1) en vacas lecheras**. Esta es la primera vez que se detectan estos virus de la gripe aviar en vacas. El propio país, desde 2022, ha informado detecciones del virus HPAI A(H5N1) en más de 200 mamíferos.
- La transmisión de mamífero a mamífero sostenida en múltiples entornos, incluidas granjas peleteras europeas, mamíferos marinos sudamericanos y ganado lechero estadounidense, plantea interrogantes sobre si los humanos serán los próximos en esta situación.

Distribución geográfica de los virus HPAI H5 muestreados en GISAID aves y mamíferos entre 1996 y 2024.



Peacock, T.P., Moncla, L., Dudas, G. *et al.* The global H5N1 influenza panzootic in mammals. *Nature* (2024).
<https://doi.org/10.1038/s41586-024-08054-z>

Figura 2. Brotes de influenza aviar y principales rutas migratorias de aves silvestres. Región de las Américas, marzo 2007 a octubre 2021 y noviembre de 2021 a mayo de 2023.



OPS



© Organización Panamericana de la Salud / Organización Mundial de la Salud, 2023. Todos los derechos reservados.
 Las denominaciones empleadas en estos mapas y la forma en que aparecen presentados los datos que contienen no implican por parte de la Secretaría de la Organización Panamericana de la Salud, juicio alguno sobre la condición jurídica de países, territorios, ciudades o zonas, o de sus autoridades, ni respecto del trazado de sus fronteras o límites. Las líneas discontinuas en los mapas representan de manera aproximada fronteras respecto de las cuales puede que no haya pleno acuerdo.
 Producción del mapa:
 OPS Departamento de Emergencias en Salud (PHE)
 Información de Emergencias en Salud & Evaluación de Riesgo (HEM)

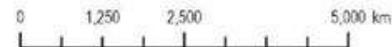
Brote de Influenza Aviar
 Subtipo

- Incompleto
- H5
- H5N1
- H5N2
- H5N4
- H5N8
- N7
- H7N1
- H7N3

- H7N6
- H7N7
- H7N8
- H7N9

Ruta migratoria principal

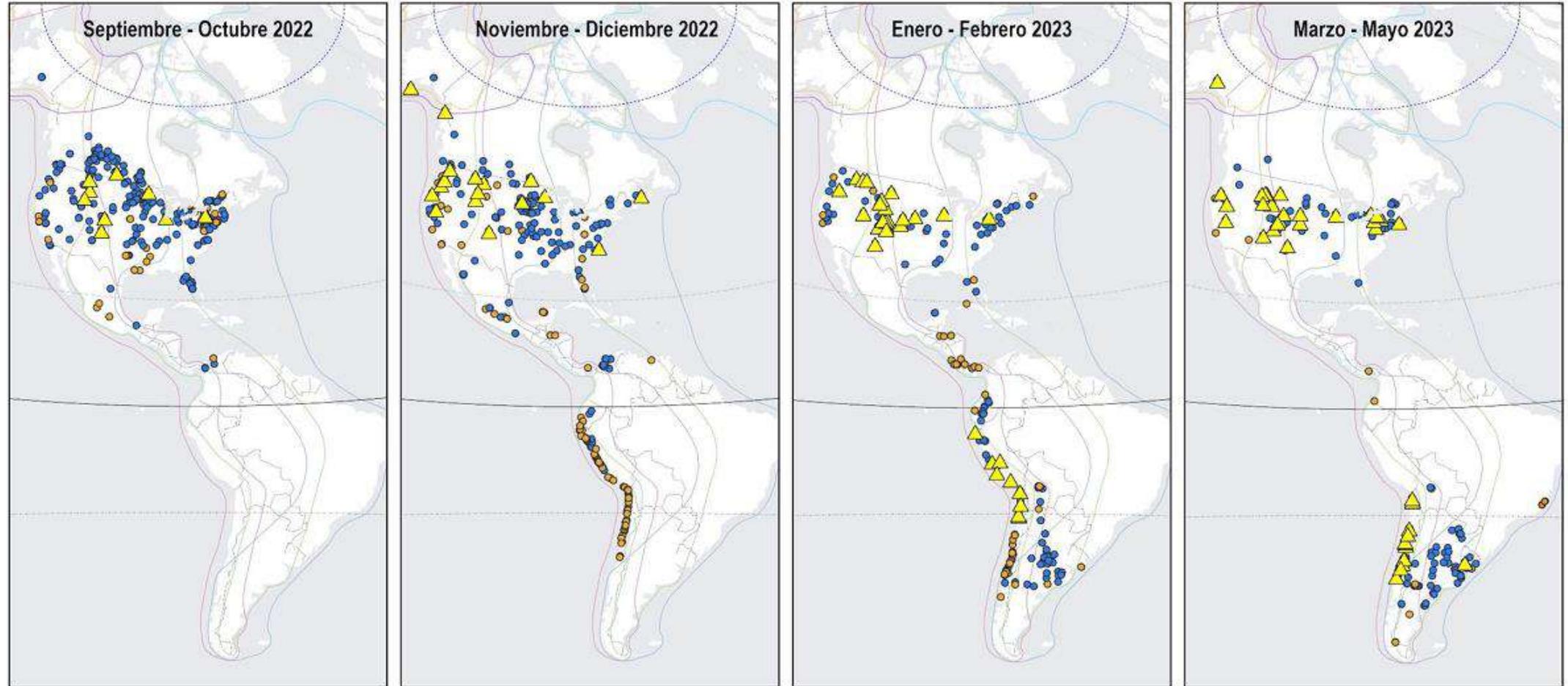
- Mississippi
- Pacífico
- Atlántico occidental
- Atlántico este



Fuentes

- Datos: Organización Mundial de Sanidad Animal (OMSA) (2023). Extraído el 12 de mayo de 2023. Datos extraídos por la Organización Panamericana de la Salud. Reproducidos con autorización. La OMSA no se responsabiliza por la integridad o exactitud de los datos aquí contenidos, pero no se limita a cualquier exclusión, manipulación o cambio del formato de los datos que pudieran haber ocurrido fuera de su control.
 - Cartografía: Límites detallados ADM0 de la OMS; Conservación de la Flora y Fauna Ártica - Servicio de Datos (SHP) Archivo de las principales rutas aéreas de aves árticas consultado en febrero de 2023.

Figura 3. Brotes de influenza aviar y principales rutas migratorias de aves silvestres. Región de las Américas, noviembre de 2021 a mayo de 2023, hasta la semana epidemiológica 18 de 2023



OPS



© Organización Panamericana de la Salud / Organización Mundial de la Salud, 2023. Todos los derechos reservados. Las denominaciones empleadas en estos mapas y la forma en que aparecen presentados los datos que contienen no implican, por parte de la Secretaría de la Organización Panamericana de la Salud, juicio alguno sobre la condición jurídica de países, territorios, ciudades o zonas, o de sus autoridades, ni respecto del trazado de sus fronteras o límites. Las líneas discontinuas en los mapas representan de manera aproximada fronteras respecto de las cuales puede que no haya pleno acuerdo.

Producción del mapa:
OPS Departamento de Emergencias en Salud (PHE)
Información de Emergencias en Salud & Evaluación de Riesgo (HEM)

Brote de Influenza Aviar
Tipo de animal

- Aves de corral o aves domésticas
- Aves salvajes
- ▲ Mamíferos

Rutas principales

- Mississippi
- Pacífico
- Atlántico occidental
- Atlántico este



Fuentes

- Datos: Organización Mundial de Sanidad Animal (OMSA) (2023). Extraído el 12 de mayo de 2023. Datos extraídos por la Organización Panamericana de la Salud. Reproducidos con autorización. La OMSA no se responsabiliza por la integridad o exactitud de los datos aquí contenidos, pero no se limita a cualquier exclusión, manipulación o cambio del formato de los datos que pudieran haber ocurrido fuera de su control.
- Cartografía: Límites detallados ADM0 de la OMS; Conservación de la Flora y Fauna Ártica - Servicio de Datos (SHP) Archivo de las principales rutas aéreas de aves árticas consultado en febrero de 2023.

Influenza A(H5N1) en la Región de las Américas

2020-01-01

to

2022-12-31

2

Casos humanos confirmados



0

Defunciones humanas.



1.338

Número de brotes (aves)



126

Número de brotes (Mamíferos)



Número de brotes de influenza aviar en aves y mamíferos en la Región de las Américas durante 12 enero del 2022 y 31 diciembre del 2022 ²



Número de brotes de influenza aviar en aves y mamíferos en la Región de las Américas durante 12 enero del 2022 y 31 diciembre del 2022 ²



Influenza A(H5N1) en la Región de las Américas

2023-01-01

to

2023-12-31

1

Casos humanos confirmados



0

Defunciones humanas.



1.288

Número de brotes (aves)



178

Número de brotes (Mamíferos)



Número de brotes de influenza aviar en aves y mamíferos en la Región de las Américas durante 01 enero del 2023 y 31 diciembre del 2023 ²



Número de brotes de influenza aviar en aves y mamíferos en la Región de las Américas durante 01 enero del 2023 y 31 diciembre del 2023 ²



Influenza A(H5N1) en la Región de las Américas

2024-01-01 to 2024-12-31

61

Casos humanos confirmados



1

Defunciones humanas.



452

Número de brotes (aves)



945

Número de brotes (Mamíferos)



Número de brotes de influenza aviar en aves y mamíferos en la Región de las Américas durante 01 enero del 2024 y 22 diciembre del 2024 ²



Número de brotes de influenza aviar en aves y mamíferos en la Región de las Américas durante 01 enero del 2024 y 22 diciembre del 2024 ²



Influenza A(H5N1) en la Región de las Américas

70

Casos humanos confirmados

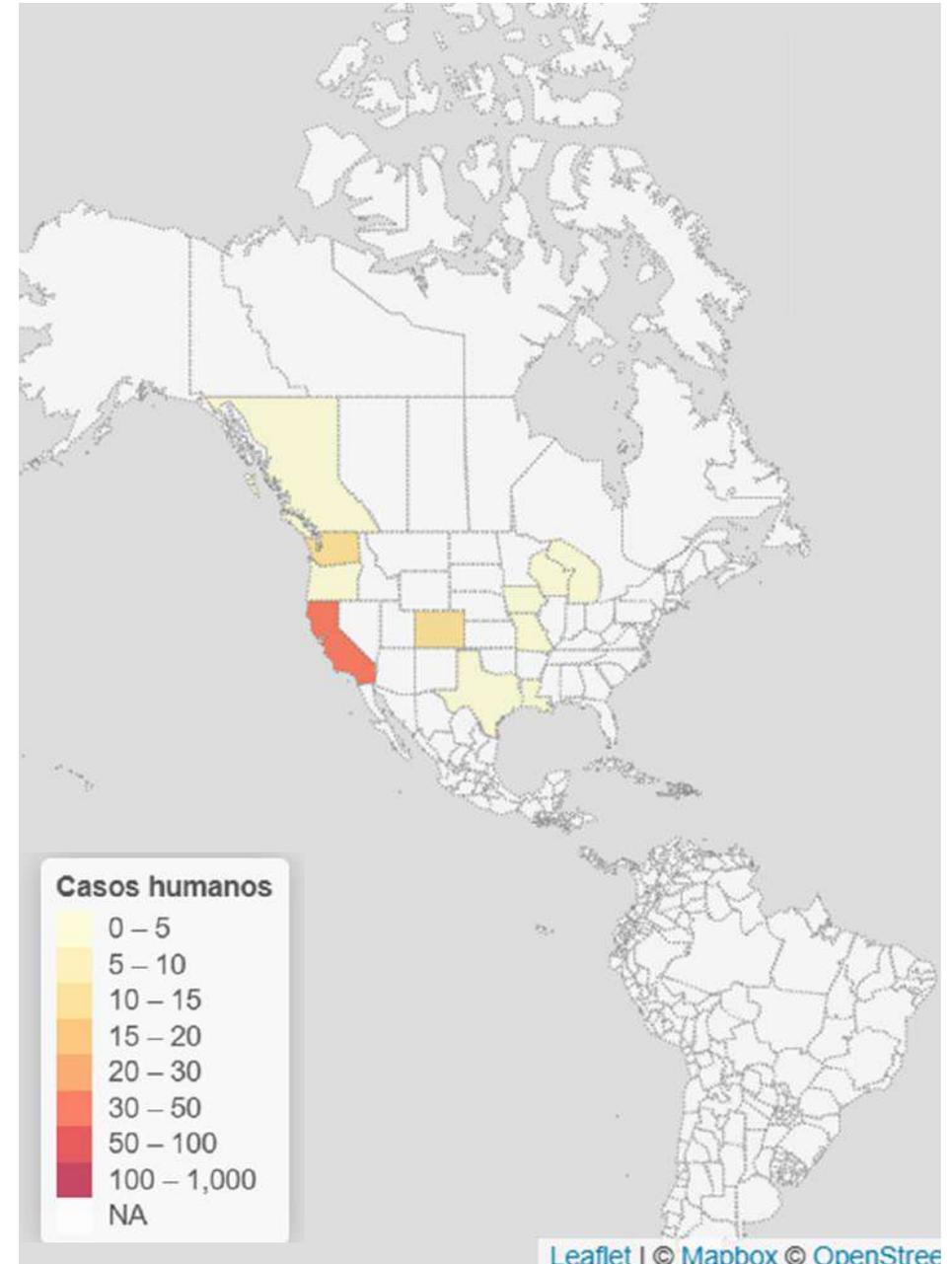
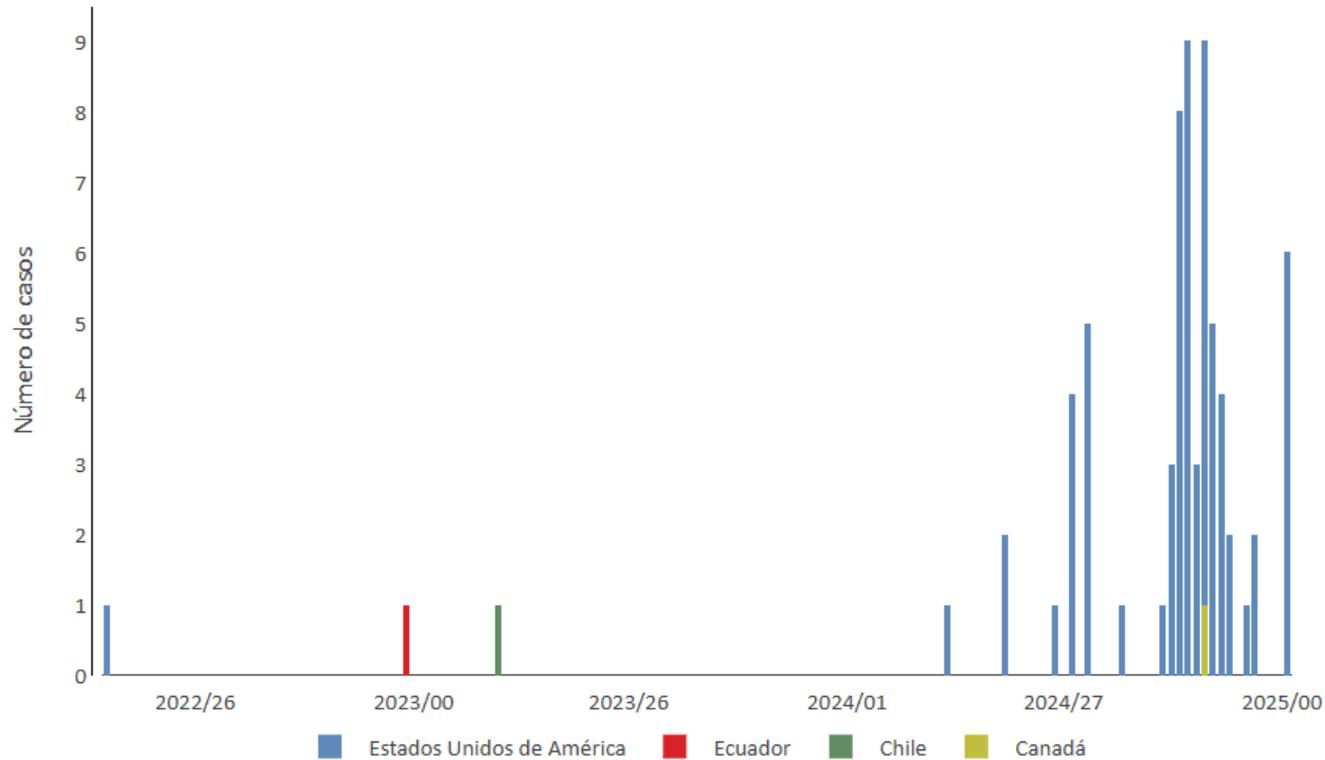


1

Defunciones humanas.



Distribución de casos humanos de influenza A(H5N1)¹ por país/territorio, hasta 06 enero de 2025



Influenza A(H5N1) en la Región de las Américas

70

Casos humanos confirmados



1

Defunciones humanas.



Distribución de los casos humanos de influenza A por nivel subnacional¹. Hasta 06 enero del 2025

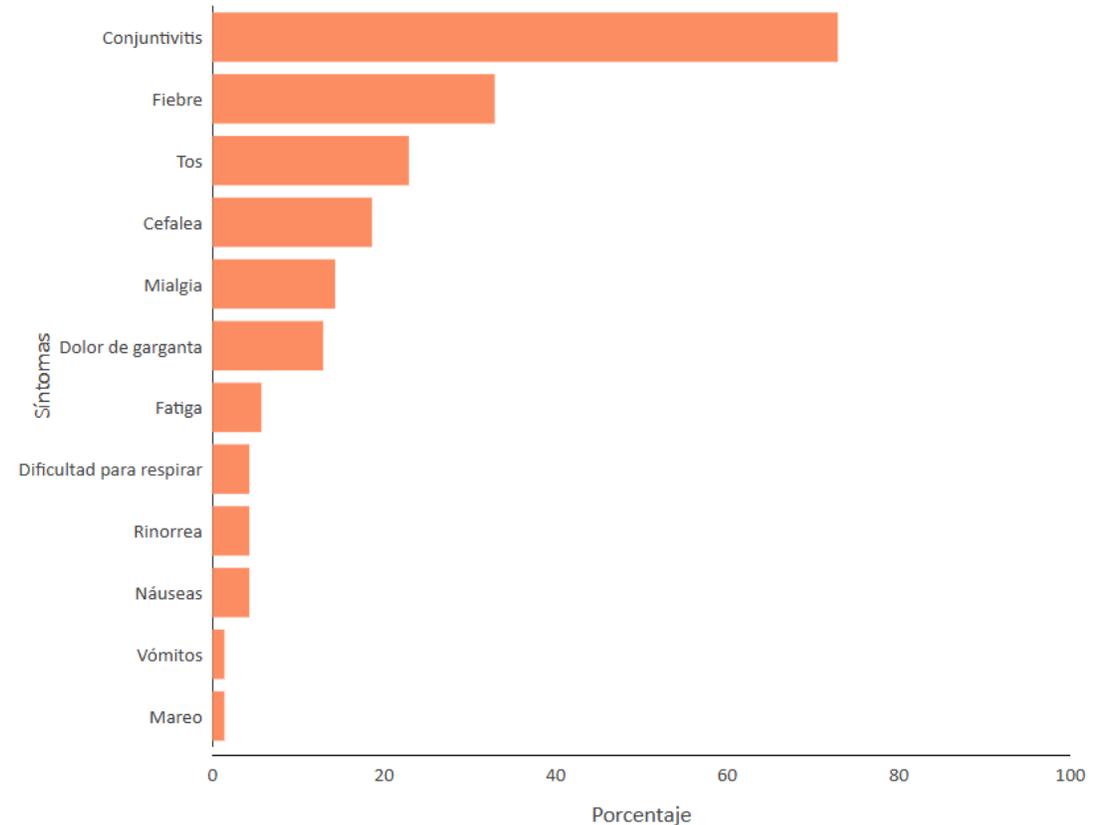
País	Adm nivel 1	Vinculado a ganado	Vinculado a aves de corral	Orígem desconocido	Total	Defunciones
Chile	Antofagasta	0	0	1	1	0
Ecuador	Bolivar	0	1	0	1	0
Canadá	British Columbia	0	0	1	1	0
	California	36	0	1	37	0
Estados Unidos de América	Colorado	1	10	0	11	0
	Iowa	0	1	0	1	0
	Louisiana	0	0	1	1	1
	Michigan	2	0	0	2	0
	Missouri	0	0	1	1	0
	Oregon	0	1	0	1	0
	Texas	1	0	0	1	0
	Washington	0	11	0	11	0
	Wisconsin	0	1	0	1	0

2019-01-01

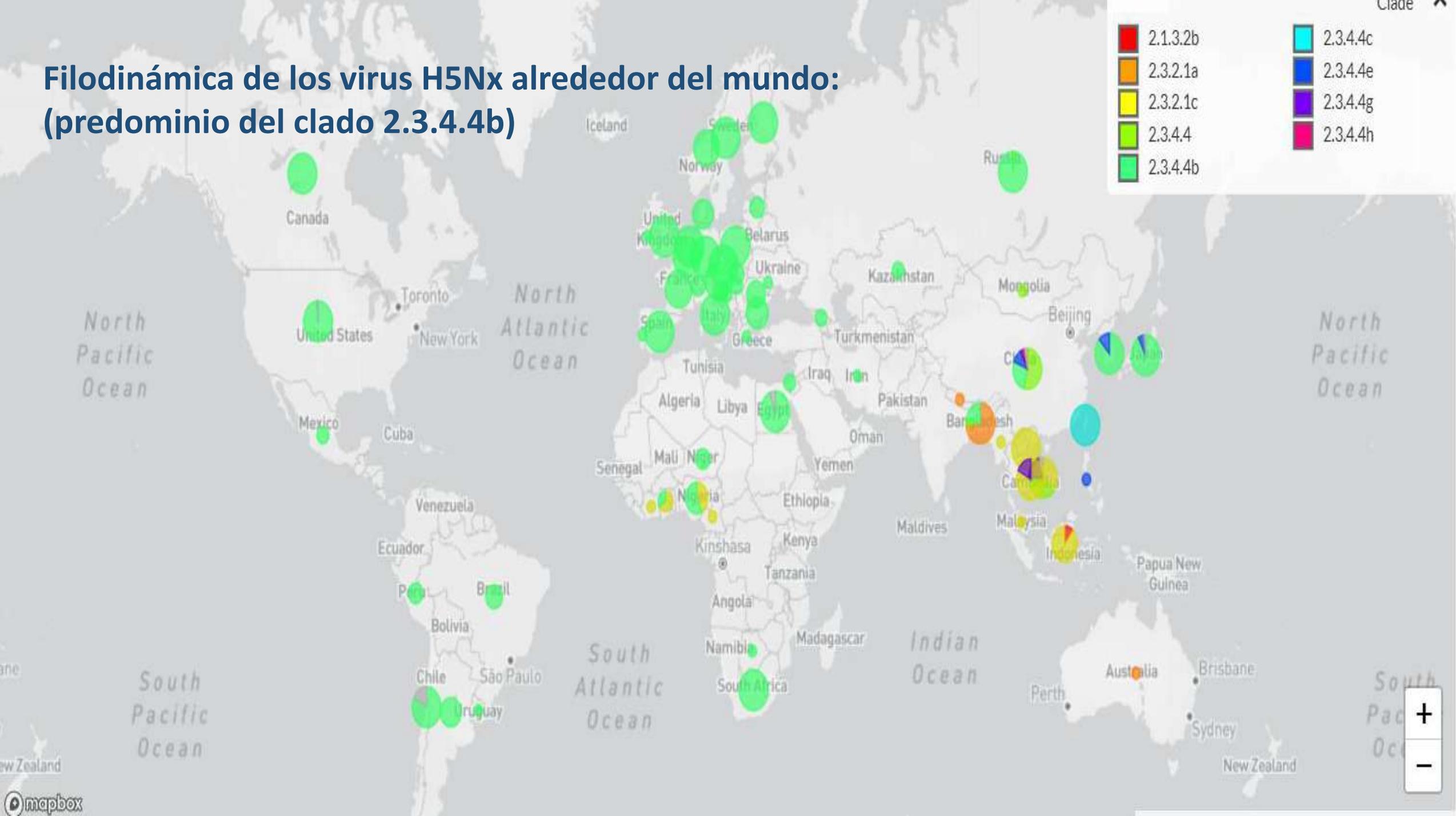
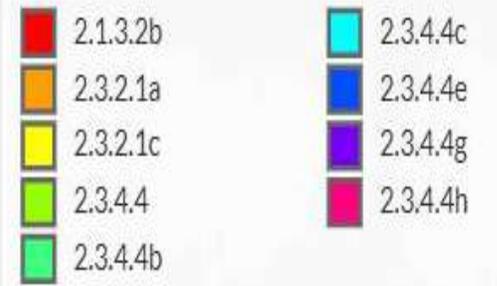
to

2025-01-09

Distribución de los síntomas en los casos confirmados de influenza A(H5N1)¹. Hasta 22 diciembre del 2024

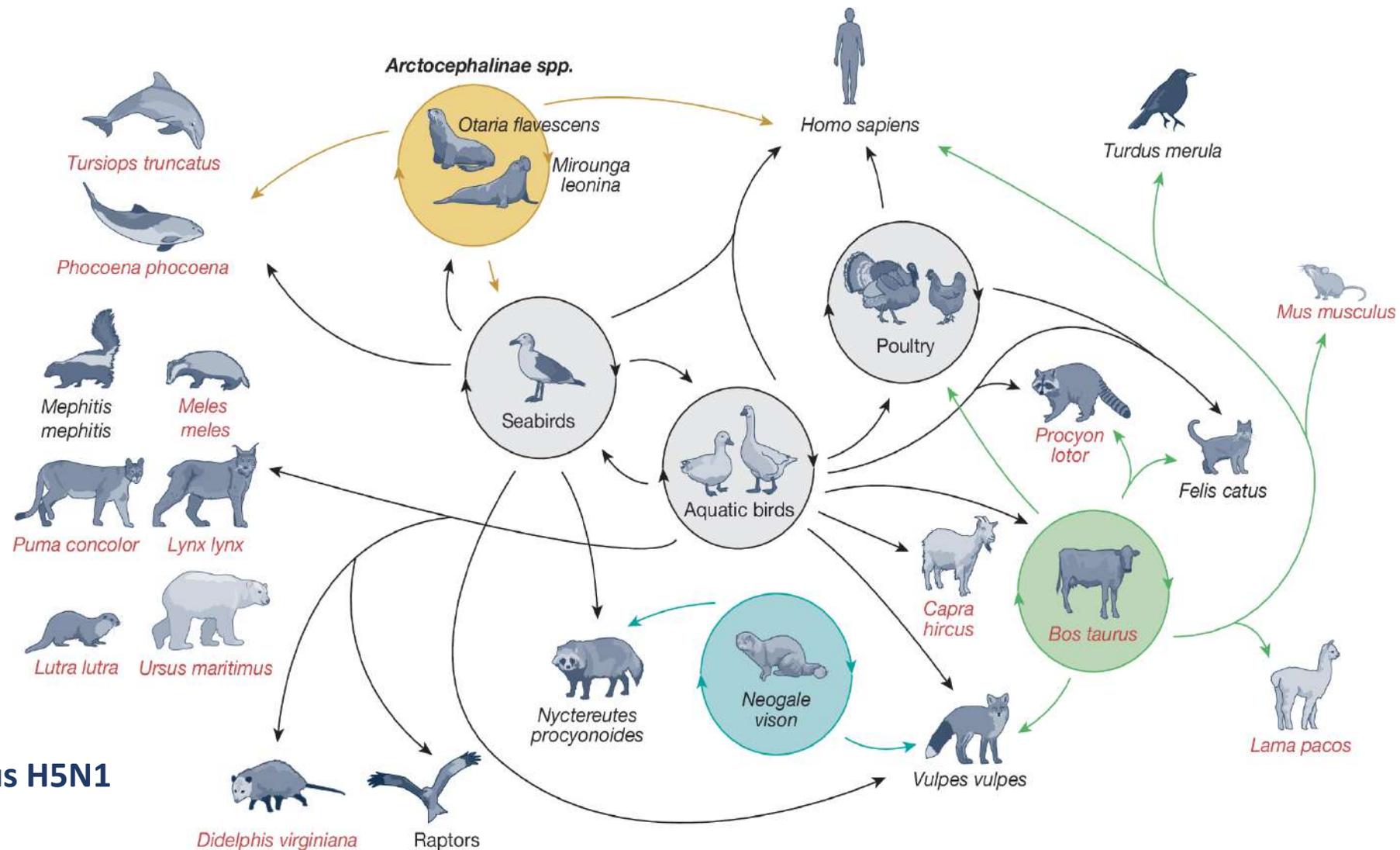


Filodinámica de los virus H5Nx alrededor del mundo: (predominio del clado 2.3.4.4b)



Ecología multihuésped del clado 2.3.4.4b del virus H5N1 desde 2020

Peacock, T.P., Moncla, L., Dudas, G. *et al.* The global H5N1 influenza panzootic in mammals. *Nature* (2024).
<https://doi.org/10.1038/s41586-024-08054-z>



- ✓ Las flechas cíclicas indican la transmisión sostenida del virus H5N1 en esa especie hospedadora.
- ✓ Los nuevos hospedadores mamíferos de H5N1 con transmisión sostenida : mamíferos marinos sudamericanos, ganado lechero estadounidense y visón europeo.
- ✓ En rojo especies hospedadoras en las que se ha detectado el virus de la influenza aviar por primera vez durante este brote.

Brotos en los que los virus 2.3.4.4b adquirieron mutaciones adaptativas clave que les permitieron mantener la transmisión de mamífero a mamífero:

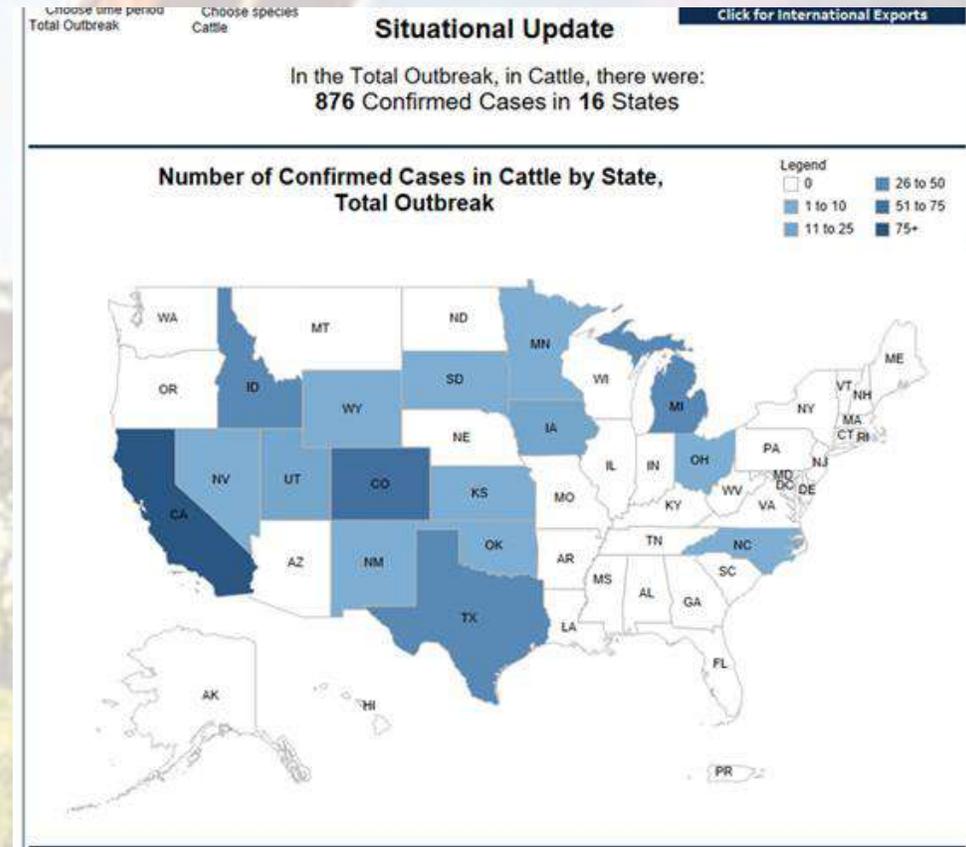
- Feb-Nov 2023 (cont.) brotes de Inf A H5N1 en mamíferos acuáticos (Leones marinos). (Argentina, Chile, Peru, Brazil y Uruguay).
- Origen probable: Aves marinas.
- >10.000 muertes reportadas y diseminación a otras especies (delfines, focas, elefantes marinos..etc)



Brotos en los que los virus 2.3.4.4b adquirieron mutaciones adaptativas clave que les permitieron mantener la transmisión de mamífero a mamífero:

✓ El 25 de marzo de 2024 se informó de un brote multiestatal en los EU de gripe aviar HPAI A(H5N1) en vacas lecheras. (primera vez).

- 876 casos confirmados en vacas lecheras
- 16 estados
- 65 casos humanos confirmados en los EU durante el brote de 2024.
- 10,852 aves silvestres detectadas.
- 125,099,796 aves de corral afectadas.
- 50 estados con brotes en aves de corral.
- Diseminación a otras especies: Zorros, Mapaches, aves, Alpacas y Humanos.



How worried should we be about avian flu?

Cases of bird flu being transmitted to other mammals have emerged – and some fear this kind of ‘spillover event’ may spark the next pandemic

SCIENCE | GLOBAL ISSUES

Bird flu outbreak: Will it cause the next pandemic?

Clare Roth
03/16/2023

Opinion **Medical science**

How worried should we be about the return of bird flu?

Now is not a time for paranoia but there is a case for extreme vigilance

ANJANA AHUJA

+ Add to myFT



Updated joint FAO/WHO/WOAH public health assessment of recent influenza A(H5) virus events in animals and people

Assessment based on data as of 18 November 2024

20 December 2024

- En la actualidad, basándose en la información disponible, la FAO, la OMS y la Organización Mundial de la Salud (WOAH) consideran que el riesgo para la salud pública mundial de los virus de la gripe A(H5N1) es bajo, mientras que el riesgo de infección para las personas expuestas ocupacionalmente es bajo o moderado, dependiendo de las medidas de mitigación del riesgo que se adopten y de la situación epidemiológica local de la gripe aviar.
- La transmisión entre animales continúa y, hasta la fecha, se está notificando un número creciente, aunque todavía limitado, de infecciones humanas. Aunque se espera que se produzcan más infecciones humanas asociadas con la exposición a animales infectados o entornos contaminados, el impacto general de dichas infecciones en la salud pública a nivel mundial, en la actualidad, es mínimo o nulo.



Es seguro que habrá otra pandemia provocada por un nuevo virus de la gripe, pero no sabemos cuándo ocurrirá, qué cepas del virus serán ni qué tan grave será la enfermedad.

Dr Wenqing Zhang
Manager of WHO's Global Influenza Programme

El amor está en el aire.

—Pero la gripe también—

LAVESE LAS MANOS.